

مقاله پژوهشی

برهمکنش ژنوتیپ × محیط و پایداری عملکرد دانه و علوفه لاین‌های امیدبخش سورگوم دومنظوره

Genotype × Environment Interaction and Grain and Forage Yield Stability of Promising Lines of Dual Purpose Sorghum

عظیم خزائی^۱، محمدرضا شیری^۲، مسعود ترابی^۳، احمد قاسمی^۴، سیدعلیرضا بهشتی^۵ و علی‌آذری نصرآباد^۶

- ۱- استادیار، موسسه تحقیقات اصلاح و تهیه نهال و بذر، سازمان تحقیقات، آموزش و ترویج کشاورزی، کرج، ایران.
۲- استادیار، بخش تحقیقات علوم زراعی و باغی، مرکز تحقیقات و آموزش کشاورزی و منابع طبیعی استان اصفهان، سازمان تحقیقات، آموزش و ترویج کشاورزی، اصفهان، ایران
۳- استادیار، بخش تحقیقات علوم زراعی و باغی، مرکز تحقیقات و آموزش کشاورزی و منابع طبیعی سیستان (زابل)، سازمان تحقیقات، آموزش و ترویج کشاورزی، زابل، ایران
۴- استادیار، بخش تحقیقات علوم زراعی و باغی، مرکز تحقیقات و آموزش کشاورزی و منابع طبیعی استان خراسان رضوی، سازمان تحقیقات، آموزش و ترویج کشاورزی، مشهد، ایران
۵- دانشیار، بخش تحقیقات علوم زراعی و باغی، مرکز تحقیقات و آموزش کشاورزی و منابع طبیعی استان خراسان رضوی، سازمان تحقیقات، آموزش و ترویج کشاورزی، مشهد، ایران
۶- استادیار، بخش تحقیقات علوم زراعی و باغی، مرکز تحقیقات و آموزش کشاورزی و منابع طبیعی استان خراسان جنوبی، سازمان تحقیقات، آموزش و ترویج کشاورزی، بیرجند، ایران

تاریخ دریافت: ۱۳۹۷/۰۷/۲۳ تاریخ پذیرش: ۱۳۹۹/۰۲/۱۴

چکیده

خزائی، ع.، شیری، م. د.، ترابی، م.، قاسمی، ا.، بهشتی، س. ع. و آذری نصرآباد، ع. ۱۳۹۹. برهمکنش ژنوتیپ × محیط و پایداری عملکرد دانه و علوفه لاین‌های امیدبخش سورگوم دومنظوره. مجله نهال و بذر ۳۶: ۵۱ - ۷۰.

برای ارزیابی الگوی اثر متقابل ژنوتیپ × محیط بر عملکرد دانه و علوفه، ۱۰ لاین امیدبخش سورگوم دومنظوره در قالب طرح بلوک‌های کامل تصادفی با چهار تکرار در شش ایستگاه تحقیقات کشاورزی کرج، مشهد، بیرجند، زابل، مغان و اصفهان به مدت دو فصل زراعی (۱۳۹۳ و ۱۳۹۴) کشت شدند. تجزیه واریانس مرکب داده ها نشان داد اثر سال، مکان، ژنوتیپ و اثر متقابل آنها بر عملکرد دانه، عملکرد علوفه و عملکرد بیولوژیک در سطح احتمال یک درصد معنی دار بود. مقایسه میانگین ها نشان داد لاین شماره ۳ (KDFGS9) با عملکرد دانه ۸/۲ تن در هكتار دارای ييشترین عملکرد دانه بود. لاین های شماره ۱ (KDFGS4) و ۹ (KDFGS26) به ترتیب با عملکرد علوفه خشک ۲۶/۲ و ۲۶/۱ تن در هكتار دارای ييشترین عملکرد علوفه خشک بودند. لاین های شماره ۱ (KDFGS6)، (KDFGS4) و ۹ (KDFGS26) به ترتیب با ۳۲/۵ و ۳۲/۳ تن در هكتار عملکرد بیولوژیک نسبت به دیگر لاین های مورد بررسی در این آزمایش برتر بودند. تجزیه پایداری با استفاده از روش AMMI و برازش مؤلفه های اصلی به اثر متقابل ژنوتیپ × محیط نشان داد دو مؤلفه اصلی برای عملکرد دانه، عملکرد علوفه خشک و عملکرد بیولوژیک معنی دار بود. برای عملکرد دانه دو مؤلفه اول ۶۷/۸ درصد از مجموع مرباعات اثر متقابل را توضیح دادند. با توجه به مدل AMMI و پارامتر ارزش پایداری امی (ASV)، لاین های شماره ۲ (KDFGS6) و ۳ (KDFGS9) با پایداری عملکرد دانه بالا، لاین های مناسب دومنظوره با اولویت تولید علوفه شناسایی لاین های شماره ۹ (KDFGS4) و ۱ (KDFGS26) به عنوان لاین های مناسب دومنظوره با اولویت تولید علوفه شناسایی شدند.

واژه های کلیدی: سورگوم، عملکرد علوفه خشک، عملکرد بیولوژیک، مدل امی، ارزش پایداری امی

مقدمه

است. بنابراین باید ژنتیکی انتخاب شود که کمترین واریانس را در واکنش به تغییرات محیطی نشان داده است و در صورت عدم وجود تفاوت معنی‌دار باید ژنتیک دارای بیشترین عملکرد انتخاب می‌شود (Lin *et al.*, 1986). به طور کلی به ارقامی سازگار اطلاق می‌شود که در دامنه‌ای از محیط‌ها، ضمن داشتن عملکرد بالا، از پایداری عملکرد نیز برخوردار باشند. ارقام با سازگاری وسیع در یکسری از محیط‌ها عملکرد متوسط و پایدار دارند، ولی ارقامی که به‌طور منحصر در شرایط مطلوب، از عملکرد بالایی برخوردارند در شرایط نامساعد دارای عملکرد ضعیفی هستند و به عنوان ارقام با سازگاری خصوصی شناخته می‌شوند (Lin and Binns, 1991).

روش‌های زیادی برای تجزیه اثر متقابل ژنتیک × محیط ارائه شده است. این روش‌ها به سه گروه پارامتری، ناپارامتری و چند متغیره تقسیم‌بندی می‌شوند (Gauch, 1992). از جمله روش‌های چند متغیره می‌توان به روش چند متغیره اثر اصلی افزایشی و اثر متقابل (Additive Main Effects and Multiplicative Interaction = AMMI) ضرب پذیر (AMMI) ابتدا تجزیه واریانس نمود. در روش AMMI عواملی بر روی داده‌های دو طرفه ژنتیک و محیط انجام می‌شود و سپس از روش تجزیه به مؤلفه‌های PCA= Principal Component Analysis) اثر متقابل محاسبه می‌شود (Gauch, 1988).

انتخاب ژنتیک‌ها براساس عملکرد در یک محیط معیار مناسبی نیست، بنابراین ژنتیک‌ها باید حتی‌امکان در دامنه وسیع و متنوعی از تغییرات محیط (مکان‌ها و سال‌های مختلف) مورد ارزیابی قرار گیرند تا با اطلاعات حاصل از سازگاری و پایداری عملکرد آن‌ها، معیار مطمئن‌تری برای توصیه ژنتیک‌ها و توسعه کشت آن‌ها در مدت زمان کوتاه بددست آید و کارایی گزینش در روند معرفی ژنتیک‌ها افزایش یابد (Farshadfar, 1998).

در برنامه‌های بهنژادی مطالعه و بررسی سازگاری گیاهان زراعی نسبت به شرایط محیطی مختلف، از اهمیت ویژه‌ای برخوردار است. از آنجاکه نیاز مبرمی برای تهیه ارقام مناسب و سازگار به مناطق جغرافیایی مختلف و اهداف خاص وجود دارد، برآورد اثر متقابل ژنتیک × محیط ضروری است. اثر متقابل ژنتیک × محیط برای دانشمندان علوم ژنتیک، اصلاح نباتات و اصلاح دام دارای اهمیت بسیار است (Allard and Bradshaw, 1964).

آگاهی از اثر متقابل ژنتیک × محیط به بهنژادگران کمک می‌کند تا در ارزیابی ژنتیک‌ها با دقت بیشتری عمل کرده و ژنتیک‌های برتر را انتخاب کند (Purchase, 1997). در واقع در صورت معنی‌دار بودن اثر متقابل، بهنژادگر باید بداند که علاوه بر وجود تفاوت‌های ژنتیکی، پاسخ ژنتیک‌ها به محیط‌های مختلف نیز متفاوت

بکار می‌برند. برای تجزیه اثر متقابل ژنوتیپ × محیط در آزمایش‌های مقایسه عملکرد زوبل و گاچ (Zobel and Gauch, 1988) از روش AMMI استفاده کردند. این مدل در واقع تغییر یافته روشنی بود که توسط گلوب (Gollob, 1968) در علوم اجتماعی و علوم پایه به کار رفته بود.

گاچ (Gauch, 1990) با بیان این که مدل AMMI ساختار داده‌های با ابعاد ماتریسی را بوسیله چند بردار مثل میانگین‌های ژنوتیپ‌ها و محیط و نیز مقادیر منفرد برای مؤلفه‌های اصلی اثر متقابل به ابعاد کوچک‌تر مدل بندی می‌کند. مدل‌هایی را که بر اساس میانگین تیمارها بیان می‌شوند مدل کامل می‌نامند که معمولاً ناریب می‌باشند. در حالی که مدل‌هایی که از داده‌های ژنوتیپ × محیط × تکرار در محاسبه استفاده می‌نمایند، مدل‌های کاهشی نامیده می‌شوند که ممکن است دارای اریب باشند. علت اریب بودن این روش‌ها این است که در این روش‌ها از تمام مؤلفه‌های اصلی و درنتیجه ریشه‌های مشخصه مربوط استفاده نمی‌شود.

انجام آزمایش در طرح‌های آزمایشی بدون تکرار ممکن نیست زیرا هیچ نوع برآورده را برای خطای نمی‌توان بدست آورد. یک راه مفید برای استخراج اطلاعات مربوط به اثر متقابل این است که بر روی باقیمانده‌های حاصل از اثر جمع پذیر، از روش تجزیه به مقادیر منفرد (S.V.D = Singular Value Decomposition) یا تجزیه به مؤلفه‌های اصلی

یکی از روش‌هایی چند متغیره که در دو دهه اخیر به فراوانی از آن استفاده شده است، روش (Hongyu *et al.*, 2014; Rodrigues *et al.*, 2014) روش‌های مناسب برای تجزیه و تحلیل مطالعات سازگاری است و ترکیبی از تجزیه واریانس و تجزیه به مؤلفه‌های اصلی است. در این روش با استفاده از تجزیه واریانس، اثر اصلی ژنوتیپ و محیط برآورد شده و سپس با استفاده از تجزیه به مؤلفه‌های اصلی، اثر متقابل ژنوتیپ × محیط مورد تجزیه و تحلیل قرار می‌گیرد.

اصولاً روش AMMI با سه هدف عمده مورد استفاده قرار می‌گیرد. اولاً: روش AMMI یک مدل تشخیصی است و سودمندی بیشتری در مقایسه با سایر روش‌ها در آزمایش‌های مقایسه عملکرد دارد و ابزاری برای تشخیص سایر مدل‌های فرعی فراهم می‌سازد. ثانیاً: این روش برای تشخیص ماهیت اثر متقابل ژنوتیپ و محیط بکار می‌رود و ارتباطات ارقام و محیط‌ها را به صورت خلاصه و گرافیکی ارائه می‌کند. ثالثاً: این روش برای بهبود دقت برآورد عملکرد مورد استفاده قرار می‌گیرد (Crossa, 1990).

روش‌های معرفی شده از نظر کارایی تشخیص رقم پایدار توسط پژوهشگران مختلف مورد بررسی و مطالعه قرار گرفته است اما روش کاملاً قابل قبول و قطعی وجود ندارد. بنابراین هر گروه از پژوهشگران یکی از روش‌ها و یا ترکیبی از روش‌ها را در مطالعات خود جهت یافتن رقم‌های با عملکرد بالا و پایدار

آدوگنا (Adugna, 2008) به منظور مقایسه کارایی روش‌های تجزیه پایداری تک متغیره پارامتری و غیر پارامتری و چند متغیره در شناسایی ژنوتیپ‌های مناسب و پایدار سورگوم برای شرایط ایوپی، دو گروه آزمایش (یک گروه مشکل از ۱۵ ژنوتیپ در هشت محیط و گروه دیگر مشکل از ۱۳ ژنوتیپ در ۱۳ محیط) انجام داد و نتیجه گرفت رویکرد چند متغیره AMMI نتایج معقول‌تر و قوی‌تری را ارایه می‌نماید.

با روش AMMI می‌توان ژنوتیپ‌های پایدار برای محیط‌های مختلف پیشنهاد نمود. بنابراین با توجه به کارایی بالای روش تجزیه پایداری AMMI در شناسایی ژنوتیپ‌های پایدار و پرپتانسیل، این روش در سال‌های اخیر به فراوانی توسط تعداد زیادی از پژوهشگران از جمله خزائی و همکاران (Khazaeei *et al.*, 2019) در بررسی ۱۶ ژنوتیپ سورگوم به مدت دو سال در چهار منطقه ایران، با صفا و همکاران (Basafa *et al.*, 2014) در بررسی ۱۵ ژنوتیپ سورگوم به مدت سه سال در پنج منطقه ایران، رانو و همکاران (Rono *et al.*, 2016) در بررسی هشت ژنوتیپ سورگوم به مدت دو فصل زراعی در پنج منطقه کنیا و همچنین ورده (Worede *et al.*, 2020) در بررسی ۱۳ ژنوتیپ سورگوم به مدت یک فصل زراعی در شش منطقه ایوپی استفاده شده است.

ارقام بومی مواد و منابع خوبی برای

استفاده شود. به منظور تشخیص مؤلفه‌های اصلی در PCA و AMMI، مؤلفه‌های اصلی را در (IPCA=Interaction AMMI به صورت Principal Component Analysis) می‌دهند (Gauch, 1992).

در تجزیه AMMI اگر فقط مؤلفه اصلی اول معنی‌دار شد و یا به عبارت دیگر مؤلفه اصلی اول بیش از ۹۰ درصد تغییرات را توضیح داد مدل AMMI1 و اگر دو مؤلفه اصلی اول بیش از ۹۰ درصد تغییرات را توضیح دادند مدل AMMI2 خوانده می‌شود و به همین ترتیب برای مؤلفه‌های بعدی نشان داده می‌شود. حال اگر هیچ کدام و یا مجموع چند تا از مؤلفه‌های اصلی معنی‌دار نشد مدل AMMI0 خوانده می‌شود که فاقد محورهای PCA هست و همان مدل تجزیه واریانس است. مدل کامل AMMI که دارای حداقل ۵ محور است را با AMMIF^۵ نمایش می‌دهند (Gauch, 1992).

فرشادفر (Farshadfar, 2008) پایداری عملکرد ۳۰ ژنوتیپ گندم کشت شده در دو شرایط تنش آبی و آبیاری تكمیلی را با استفاده از آماره ارزش پایداری (ASV=AMMI Stability Value) برای شاخص منفرد غیر پارامتری (GSI=Genotype Stability Index) محاسبه نمود. نتایج نشان داد که ژنوتیپ‌های شماره ۱۷ با داشتن بیشترین میانگین عملکرد دارای عملکرد پایدار بودند.

مقایسه میانگین‌ها نشان داد شش لاین عملکرد بیولوژیک تر و خشک (ساقه، برگ و وزن پانیکول با دانه) بالاتری تولید کردند (Fouman, 2012).

هدف از انجام این پژوهش تعیین مناسب‌ترین لاین‌های امیدبخش سورگوم دومنظوره تولید شده در ایران از نظر عملکرد علوفه و دانه و پایداری آن‌ها بود.

مواد و روش‌ها

د لاین امیدبخش سورگوم دومنظوره (جدول ۱) در قالب طرح بلوک‌های کامل تصادفی با چهار تکرار در شش ایستگاه تحقیقات کشاورزی شامل کرج، مشهد، زابل، گرگان، مغان و اصفهان به مدت دو فصل گزاری ۱۳۹۳ و ۱۳۹۴ کشت شدند.

میزان کود فسفات آمونیوم ۲۵۰ کیلوگرم در هکتار و ۱۰۰ کیلوگرم در هکتار اوره در زمان کاشت و ۱۰۰ کیلوگرم در هکتار اوره به عنوان سرک در مرحله ۸-۶ برگی، بر اساس آزمون خاک مصرف شد. کاشت بر روی پسته‌ها با فواصل 60×10 سانتی‌متر (با تراکم ۱۶۷ هزار بوته در هکتار) انجام شد. هر لاین در هر تکرار در ۴ خط به طول ۷ متر کشت گردید. آبیاری به صورت نشتی و بر اساس ۶۰ میلی‌متر تبخیر از سطح تشتک تبخیر کلاس A انجام گرفت (با توجه به مناطق مختلف دور آبیاری هر هفت تا ۱۰ روز بود).

کاشت لاین‌ها زمانی که دمای خاک در

تولید واریته‌های سورگوم دو منظوره علوفه‌ای و دانه‌ای هستند. برای شناسایی دامنه تغییرات ژنتیکی و صفات مهم زراعی بین ارقام بومی سورگوم، ۷۴ رقم از سه کشور آفریقای جنوبی و سودان و هندوستان در پنج منطقه هند و سودان مورد بررسی قرار گرفت. واریانس ژنتیکی آن‌ها برای همه صفات مورد بررسی در سطح احتمال یک درصد معنی‌دار بود. ارقام بومی سورگوم از نظر قوه نامیه بذر، عملکرد علوفه، عملکرد دانه و شاخص برداشت همگی تفاوت معنی‌دار داشتند و در بررسی اولیه ۱۳ رقم از میان آن‌ها انتخاب شد (Rattunde, 2006).

سه رقم تریتیکاله و دو رقم جو برای استفاده دو منظوره علوفه و دانه در مرکز تحقیقات کشاورزی مغان مورد مقایسه قرار گرفت، بین مواد مورد بررسی برای صفات یادداشت‌برداری شده اختلاف معنی‌دار وجود داشت بیشترین عملکرد علوفه سبز به جو LB با ۲۱/۰۱ تن در هکتار تعلق گرفت و بیشترین عملکرد دانه را رقم ۴۱۱۶ تریتیکاله با ۷/۲۳ تن در هکتار تولید کرد (Ghasemi et al., 2004).

در بروزیل هیجده رقم سورگوم برای شناسایی ارقام دومنظوره مورد بررسی قرار گرفت و با توجه به جمیع جهات ۱۲ رقم آن دو منظوره علوفه‌ای و دانه‌ای تشخیص داده شد (Resende et al., 2003). در کرج ۳۰ لاین سورگوم دومنظوره علوفه‌ای-دانه‌ای مورد بررسی و مقایسه عملکرد مقدماتی قرار گرفت.

جدول ۱. لاین های امید بخش سورگوم دو منظوره و والدین آنها

Table 1. Promising lines of dual purpose sorghum and their parentage

شماره لاین Line no.	لاین امید بخش Promising line	والدین Parentage
1	KDFGS4*	ICSV758 × K30
2	KDFGS6	PARC7 × Kimiy
3	KDFGS9	PV120 × K35
4	KDFGS10	KGS10 × LFS21
5	KDFGS12	Uthang × KFS2
6	KDFGS13	KGS9 × KFS3
7	KDFGS16	Suph 60 × K30
8	KDFGS20	ICSV112 × KFS3
9	KDFGS26	KFS1 × LFS6
10	KDFGS30	K37 × KGS9

* KDFGS: K = Karaj, D = Dual purpose, F = Forage, G = Grain and S = Sorghum

عمق ۴-۵ سانتی متری خاک به ۱۲-۱۴ درجه سانتی گرد رسید انجام شد. به عنوان نمونه در کرج این دما در نیمه دوم اردیبهشت بود. صفات مهم مورد نظر از قیل ارتفاع گیاه، طول پانیکول، تعداد پنجه، قطر ساقه، عملکرد علوفه تر، عملکرد علوفه خشک و عملکرد دانه مورد بررسی و ارزیابی قرار گرفت. پس از اطمینان از برقراری فرضیه های تجزیه واریانس، داده ها به صورت مرکب تجزیه واریانس شد و برای تجزیه پایداری از روش تجزیه اثر اصلی افزایشی و اثر مقابل ضرب پذیر (AMMI) استفاده شد و مدل آن به صورت زیر است (Gauch, 1992).

$$Y_{ger} = \mu + \alpha_g + \beta_e + \sum \lambda_n \gamma_{gn} \delta_{en} + \rho_{ge} + \varepsilon_{ger}$$

یعنی بخش افزایشی از تجزیه واریانس معمولی استفاده می کند. میانگین کل با اثر ژنتیکی (α_g) به صورت انحراف ژنتیکی از میانگین کل و اثر محیطی (β_e) به صورت انحراف محیط از میانگین کل برآورد می شود. بخش دوم میانگین کل برآورد می شود. بخش دوم ($\sum_n \lambda_n \gamma_{gn} \delta_{en}$)، قسمت ضرب پذیر مدل است که از تجزیه به مؤلفه های اصلی به منظور تجزیه برهمکنش ژنتیکی × محیط به یک تا n مؤلفه

در این فرمول Y_{ger} : عملکرد ژنتیکی γ_{gn} در محیط n در تکرار t است. میانگین کل آزمایش، α_g و β_e به ترتیب اثرات اصلی ژنتیکی و محیط، λ_n : مقدار منفرد برای محور مؤلفه اصلی γ_{gn} ، ρ_{ge} : بردار ویژه ژنتیکی برای محور n و ε_{ger} : مقدار باقیمانده یا نویز (Noise) و عبارت مربوط به خطاست. بخش اول مدل AMMI ($\mu + \alpha_g + \beta_e$)

از روش توکی از نرم افزار SAS 9.0 و برای تجزیه پایداری از نرم افزار 12.0 و GENSTAT همچنین برای گروه بندی و رسم دندرو گرام از نرم افزار SPSS 16.0 استفاده شد.

اصلی استفاده می کند.

باید توجه داشت که در روش AMMI، محاسبات بر روی مقادیر اثر متقابل ژنوتیپ × محیط صورت می گیرد ولی در مؤلفه های اصلی، محاسبات بر روی تفاضل داده های اصلی از میانگین کل داده ها انجام می شود (Gauch, 1988). همچنین برای محاسبه آماره پایداری ASV از رابطه زیر که اولین بار توسط پرچیز (Purchase, 1997) به کار برده شد، استفاده گردید.

$$ASV = \sqrt{\frac{SSIPCA1}{SSIPCA2}} (IPCA1^2 + IPCA2^2)$$

به منظور گروه بندی ژنوتیپ های سور گوم دو منظوره، تجزیه خوشای با استفاده از روش WARD انجام شد. برای تجزیه واریانس (اثر سال تصادفی و مکان و رقم ثابت در نظر گرفته شد) و مقایسه میانگین ها با استفاده

نتایج و بحث

با اطمینان از برقراری فرضیه مربوط به همگنی اشتباہات آزمایشی تجزیه واریانس مرکب داده ها انجام شد و دو منطقه زابل و مشهد با توجه به عدم همگنی از تجزیه واریانس مرکب حذف شدند. تجزیه واریانس مرکب برای چهار منطقه (اصفهان، بیرون گند، مغان و کرج) انجام شد. اثر سال، مکان، رقم و اثر متقابل آنها بر عملکرد دانه، عملکرد علوفه خشک و عملکرد بیولوژیک در سطح احتمال یک درصد دارای تفاوت معنی دار بودند (جدول ۲).

جدول ۲- تجزیه واریانس مرکب برای عملکرد دانه، عملکرد علوفه خشک و عملکرد بیولوژیک لاین های امید بخش سور گوم دو منظوره

Table 2. Combined analysis of variance for grain yield, dry forage yield and biological yield of promising lines of dual purpose sorghum

S.O.V.	منبع تغیر	درجه آزادی df	MS میانگین مربیعات		
			عملکرد دانه Grain yield	عملکرد علوفه خشک	عملکرد بیولوژیک Biological yield
Year (Y)	سال	1	34.32**	55.46**	73.07**
Location (L)	مکان	3	230.72**	926.16**	764.64**
Y × L	سال × مکان	3	2.22	70.01**	27.45**
Errora	خطای الف	24	2.11	24.13	29.23
Cultivars (C)	رقم	9	14.09**	90.81**	82.50**
C × Y	رقم × سال	9	8.20**	37.23**	57.43**
C × L	رقم × مکان	27	8.11**	11.77**	27.07**
Y × C × L	رقم × سال × مکان	27	4.43**	26.07**	41.06**
Errorb	خطای ب	216	2.02	14.52	20.55

**: Significant at the 1% probability level.

**: معنی داری در سطح احتمال یک درصد.

بیولوژیک نیز در کرج و بیرجند به ترتیب با ۵۵/۴۷ و ۸۷/۲۹ تن در هکتار نسبت به سایر مکان‌ها دارای برتری کامل بودند (جدول ۳). عملکرد دانه در کرج در سال اول با ۱۰/۵۴ تن در هکتار دارای برتری کامل بود ولی عملکرد علوفه در سال دوم با ۵۹/۱۶ تن در هکتار رتبه نخست را به خود اختصاص داد. عملکرد بیولوژیک نیز در کرج در سال دوم با ۶۸/۰۴ تن در هکتار کاملاً برتر بود (جدول ۳).

مقایسه میانگین‌های چهار منطقه نشان داد که در سال دوم عملکرد دانه، عملکرد علوفه خشک و عملکرد بیولوژیک نسبت به سال اول بیشتر بودند (جدول ۳). عملکرد دانه در بیرجند با ۹/۹۶ تن در هکتار در رتبه اول و در کرج با ۸/۶۲ تن در هکتار در رتبه دوم قرار گرفت. از نظر عملکرد علوفه خشک، کرج با ۴۶/۸۵ تن در هکتار و بیرجند با ۱۹/۹۱ تن در هکتار در رتبه‌های اول و دوم قرار گرفتند. عملکرد

جدول ۳- مقایسه میانگین اثر سال، مکان و برهمکنش سال × مکان بر عملکرد دانه، عملکرد علوفه خشک و عملکرد بیولوژیک لاین‌های امید بخش سورگوم دو منظوره

Table 3. Mean comparison of year, location and year × location interaction effects on grain yield, dry forage yield and biological yield of promising lines of dual purpose sorghum

		عملکرد دانه (تن در هکتار) Grain yield (tha^{-1})	عملکرد علوفه خشک (تن در هکتار) Dry forage yield (tha^{-1})	عملکرد بیولوژیک (تن در هکتار) Biological yield (tha^{-1})
		Year	سال	
		Location		مکان
2014	سال اول	7.60b	19.10b	26.70b
2015	سال دوم	8.30a	28.50a	36.70a
		Year × Location		سال × مکان
Isfahan	اصفهان	7.21c	11.49d	18.70d
Birjand	بیرجند	9.9a	19.91b	29.87b
Moghan	مغان	6.05d	16.77c	22.81c
Karaj	کرج	8.62b	46.85a	55.47a
		Year × Location		سال × مکان
2014	Isfahan	6.97d	9.35f	16.32f
	Birjand	7.45d	13.64e	21.09e
	Moghan	9.38b	18.13d	27.51d
	Karaj	10.54a	21.70c	32.24c
2015	Isfahan	5.81e	14.23e	20.04e
	Birjand	6.29e	19.30d	25.59d
	Moghan	8.37c	34.54b	42.90b
	Karaj	8.88bc	59.16a	68.04a

میانگین‌هایی، در هر ستون و برای هر عامل، که دارای حداقل یک حرف مشترک می‌باشند براساس آزمون توکی در سطح احتمال پنج درصد تفاوت معنی دار ندارند.

Means, in each column and for each factor, followed by at least one letter in common are not significantly different the at 5% probability level-using Tukey test.

با ۸/۷۲ و ۸/۸۲ تن در هکتار عملکرد دانه دارای برتری کامل بودند و از لحاظ علوفه خشک لاین شماره ۹ در سال دوم با ۳۱/۷۲ تن در هکتار در رتبه نخست قرار گرفت (جدول ۴). لاینهای شماره ۱ و ۹ در سال دوم به ترتیب با ۳۸/۶۸ و ۳۸/۹۸ تن در هکتار دارای بیشترین عملکرد بیولوژیک بودند (جدول ۵).

تجزیه واریانس مرکب داده‌ها فقط اطلاعاتی در مورد وجود یا عدم وجود اثر متقابل ژنوتیپ × محیط ارائه می‌دهد، بنابراین تجزیه پایداری برای شناسایی ژنوتیپ‌های با عملکرد پایدار سودمند می‌باشد.

مقایسه میانگین دوساله ارقام در چهار مکان نشان داد که لاین شماره ۳ (KDFGS9) با عملکرد دانه ۸/۷۱ تن در هکتار دارای بیشترین عملکرد دانه بود. از نظر علوفه خشک لاین شماره ۱ (KDFGS4) و لاین شماره ۹ (KDFGS26) به ترتیب با ۲۶/۱۵ و ۲۶/۱۱ تن در هکتار دارای بیشترین عملکرد علوفه خشک بودند (جدول ۴). لاینهای شماره ۹ (KDFGS6) و شماره ۹ (KDFGS4) به ترتیب با ۳۲/۹۹، ۳۴/۳۱ (KDFGS26) و ۳۲/۴۸ تن در هکتار عملکرد بیولوژیک دارای برتری کامل بودند (جدول ۴).

لاینهای شماره ۲ و ۳ در سال اول به ترتیب

جدول ۴- مقایسه میانگین عملکرد دانه، عملکرد علوفه خشک و عملکرد بیولوژیک لاین های

امید بخش سورگوم دومنظوره

Table 4. Mean comparison of grain yield, dry forage yield and biological yield of promising lines of dual purpose sorghum

No.	Line	Lain	عملکرد بیولوژیک بیولوژیک	عملکرد علوفه خشک بیولوژیک	عملکرد دانه بیولوژیک
			(تن در هکتار)	(تن در هکتار)	(تن در هکتار)
No.	Line	Lain	Grain yield (tha ⁻¹)	Dry forage yield (tha ⁻¹)	Biological yield (tha ⁻¹)
1	KDFGS4		8.16a-c	26.15a	34.31a
2	KDFGS6		8.42ab	24.57ab	32.99ab
3	KDFGS9		8.71a	23.17b-d	31.87a-c
4	KDFGS10		8.47ab	24.02b	32.48ab
5	KDFGS12		8.08a-c	24.62ab	32.70ab
6	KDFGS13		7.91a-c	22.75b-d	30.66b-d
7	KDFGS16		8.23ab	21.46cd	29.69cd
8	KDFGS20		7.83bc	21.30d	29.12d
9	KDFGS26		6.38d	26.11a	32.48ab
10	KDFGS30		7.43c	23.42bc	30.84b-d

میانگین‌هایی، در هر ستون، که دارای حداقل یک حرف مشترک می‌باشند براساس آزمون توکی در سطح احتمال پنج درصد تفاوت معنی دار ندارند.

Means, in each column, followed by at least one letter in common are not significantly different at the 5% probability level-using Tukey test.

جدول ۵- مقایسه میانگین بر همکنش سال × لاین بر عملکرد دانه، عملکرد علوفه خشک و عملکرد بیولوژیک لاین های امید بخش سور گوم دومنظوره

Table 5. Mean comparison of year × line interaction effect on grain yield, dry forage yield and biological yield of promising lines of dual purpose sorghum

شماره No.	Line	لاین Line	عملکرد دانه (تن در هکتار) Grain yield (tha ⁻¹)	عملکرد علوفه خشک (تن در هکتار) Dry forage yield (tha ⁻¹)	عملکرد بیولوژیک (تن در هکتار) Biological yield (tha ⁻¹)
2014					
1	KDFGS4	8.321a-d	21.62e	29.94c	
2	KDFGS6	8.727a	19.34e-g	28.07cd	
3	KDFGS9	8.826a	18.51f-h	27.34cd	
4	KDFGS10	8.494a-c	20.07e-g	28.56cd	
5	KDFGS12	7.434b-e	20.80ef	28.24cd	
6	KDFGS13	7.392c-e	18.32f-h	25.71cde	
7	KDFGS16	8.226a-d	17.19gh	25.41de	
8	KDFGS20	6.733e	15.97h	22.71e	
9	KDFGS26	5.488f	20.50ef	25.99c-e	
10	KDFGS30	6.689e	18.27f-h	24.96de	
2015					
1	KDFGS4	7.999a-d	30.68ab	38.68a	
2	KDFGS6	8.113a-d	29.79a-c	37.90ab	
3	KDFGS9	8.585ab	27.82b-d	36.41ab	
4	KDFGS10	8.442a-d	27.97b-d	36.41ab	
5	KDFGS12	8.719a	28.44b-d	37.16ab	
6	KDFGS13	8.429a-d	27.18cd	35.61ab	
7	KDFGS16	8.238a-d	25.73d	33.97b	
8	KDFGS20	8.926a	26.62d	35.54ab	
9	KDFGS26	7.267de	31.72a	38.98a	
10	KDFGS30	8.161a-d	28.56b-d	36.72ab	

میانگین هایی، در هر ستون، که دارای حداقل یک حرف مشترک می باشد براساس آزمون توکی در سطح احتمال پنج درصد تفاوت معنی دار ندارند.

Means, in each column, followed by at least one letter in common are not significantly different at the 5% probability level-using Tukey test.

می شوند و از این رو می توان برتری ژنتیکی را در محیط های مختلف تعیین کرد. تجزیه پایداری به روش AMMI و برآش مؤلفه های اصلی به اثر متقابل ژنتیک × محیط نشان داد دو مؤلفه اصلی برای عملکرد دانه، عملکرد علوفه خشک و عملکرد بیولوژیک در سطح احتمال یک درصد معنی دار بودند (جدول ۶).

(Khazaee et al., 2019) خزائی و همکاران

با توجه به وجود اثر متقابل معنی دار ژنتیک × محیط در هنگام انتخاب بهترین ژنتیک، باید سعی شود ژنتیکی انتخاب شود که علاوه بر عملکرد بالا، نوسان عملکرد کمتری داشته باشد و به عبارت دیگر از پایداری عملکرد بیشتری برخوردار باشد (Farshadfar, 1998).

استفاده از پارامتر های پایداری AMMI موجب تسهیل انتخاب ژنتیک های برتر می شود. در این روش ژنتیک ها در هر محیط رتبه بندی

جدول ۶- تجزیه واریانس به روشنامی (AMMI) برای لاین‌های امیدبخش سورگوم دو منظوره

Table 6. Analysis of variance using (AMMI) model for promising lines
of dual purpose sorghum

S.O.V.	منبع تغییر	df	درجه آزادی	MS میانگین مریعات		
				عملکرد دانه	عملکرد علوفه	عملکرد بیولوژیک
Total	کل	319	5.52	249	277	
Treatments	تیمار	79	16.12**	958**	1052**	
Genotypes	ژنوتیپ	9	14.1**	91**	82**	
Environment	محیط	7	104.73**	10435**	11350**	
Block	بلوک	24	2.11	24	29	
Interaction	اثر متقابل	63	6.57**	29**	46**	
IPCA1	مؤلفه اصلی اول	15	11.06**	51**	85**	
IPCA2	مؤلفه اصلی دوم	13	8.81**	35**	59**	
Residual	باقیمانده	35	3.81**	17	25	
Error	خطا	216	2.02	15	21	

**: Significant at the 1 % probability level.

*: معنی دار در سطح احتمال یک درصد.

درصد از مجموع مریعات اثر متقابل را توضیح دادند. در مجموع دو مؤلفه اصلی برای علوفه تر ۷۷ درصد از مجموع مریعات اثر متقابل را توضیح دادند. هرچه سهم ژنوتیپ از اثر متقابل کمتر باشد، نشان دهنده پایداری بیشتر آن ژنوتیپ است. بعضی از پژوهشگران اظهار نموده‌اند که بهترین مدل، مدلی است که در آن فقط دو مؤلفه اصلی اول معنی دار شوند و سایر مؤلفه‌ها واریانس کمی داشته باشند (Katsura *et al.*, 2016)

با صفا و همکاران (Basafa *et al.*, 2014) با مطالعه بر روی ۱۵ لاین سورگوم علوفه‌ای گزارش دادند در محیط‌های مورد بررسی بر اساس نتایج تجزیه AMMI و پارامترهای پایداری مورد مطالعه، ژنوتیپ‌های ۱۵ و ۵ با عملکرد بالاتر از میانگین دارای بیشترین پایداری بودند در صورتی که ژنوتیپ‌های ۱ و ۳ با بیشترین

با استفاده از روش AMMI پایداری ۱۶ ژنوتیپ سورگوم علوفه‌ای را مورد ارزیابی قرار دادند. نتایج مدل AMMI و پارامتر ارزش پایداری‌امی (ASV)، نشان دادند ژنوتیپ‌های ۸ و ۱۲ (FGCSI12) و Siloking با عملکرد علوفه و پایداری عملکرد بالاتر، به عنوان ژنوتیپ‌های مناسب سورگوم علوفه‌ای شناخته شدند. عملکرد علوفه خشک اولین مؤلفه اصلی ۲۴/۷ اثر متقابل ۴۲ درصد و دومین مؤلفه شامل ۲۴/۷ درصد از مجموع مریعات اثر متقابل بود. در مجموع دو مؤلفه اصلی اول برای علوفه خشک ۶۶/۷ درصد از مجموع مریعات اثر متقابل را توضیح دادند. با استفاده از این دو مؤلفه سهم هر ژنوتیپ در اثر متقابل مشخص شد. خزائی و همکاران (Khazaei *et al.*, 2019) همچنین گزارش کردند برای علوفه تر اولین مؤلفه اصلی اثر متقابل ۵۳ درصد و دومین مؤلفه ۲۴

میانگین کل لاین ها بود و بنابراین به عنوان لاین های با عملکرد پایدار با سازگاری عمومی بالا شناسائی شدند. برای عملکرد علوفه لاین های شماره ۱ و ۸ دارای IPCA1 بالایی بودند. غیر از محیط ۱ و ۶ که IPCA1 نسبتاً بالاتری داشتند در بقیه محیط ها دارای کمترین مقدار IPCA1 بودند. بنابراین دارای کمترین اثر متقابل می باشند و در بعضی محیط هایی نسبت به محیط های دیگر از پایداری عملکرد بالاتری برخوردار بودند (جدول ۸).

برای عملکرد علوفه لاین شماره ۹ دارای کمترین IPCA1 است و میانگین عملکرد علوفه این لاین بالاتر از بقیه لاین ها و از میانگین کل IPCA1 هم بیشتر بوده البته لاین شماره ۱ هرچند بالاتری داشت اما دارای عملکرد علوفه بیشتر از میانگین بوده بنابراین لاین های شماره ۹ و ۱ برای تهیه علوفه مناسب می باشند (جدول ۷).

از مهمترین کاربردهای روش AMMI می توان به تعیین سازگاری خصوصی ژنوتیپ ها و معرفی یک یا چند ژنوتیپ برای یک یا چند منطقه اشاره کرد. رتبه بندی لاین های امید بخش سورگوم دو منظوره از نظر عملکرد دانه، عملکرد علوفه در محیط های مختلف در جدول ۸ ارائه شده است. نتایج نشان داد که از لحاظ عملکرد دانه برای اصفهان لاین های شماره ۴ و ۱ برای معان لاین های شماره ۲ و ۳ و برای کرج لاین های شماره ۲، ۳، ۷ و ۴ در مجموع دو سال انتخاب شدند (جدول ۸).

از لحاظ عملکرد علوفه خشک در اصفهان

تأثیر در اثر متقابل، ناپایدارترین ژنوتیپ ها شناخته شدند.

فرشاد فار و سوتکا (Farshadfar and Sutka, 2006) روشن AMMI پایداری ۲۲ ژنوتیپ گندم دورم را در ایران مورد ارزیابی قرار دادند. نتایج نشان داد که ۹۲/۵ درصد از تغییرات مربوط به مجموع مربعات با استفاده از روش های AMMI1، AMMI2 و AMMI3 توجیه شد که این میزان ۴/۵ برابر بیشتر از روش تجزیه رگرسیون خطی بود. عملکرد و پایداری ۱۵ ژنوتیپ پیشرفته گندم دورم در ۱۲ محیط با استفاده از روش AMMI توسط محمدی و همکاران (Mohammadi *et al.*, 2007) مورد ارزیابی قرار گرفت.

تجزیه واریانس AMMI و مقادیر مؤلفه های اصلی اول و دوم و پارامتر ASV برای ژنوتیپ ها و محیط ها به ترتیب در جدول های ۶ و ۷ ارائه شده اند. از این پارامترها برای ارزیابی پایداری ژنوتیپ ها در محیط های مختلف کمک گرفته شد. ژنوتیپ های دارای مقادیر اولین مؤلفه اصلی (IPCA1) بزرگ (مبتنی یا منفی) اثر متقابل بالایی با محیط دارند در حالی که ژنوتیپ ها و محیط های دارای مقادیر اولین مؤلفه اصلی نزدیک به صفر دارای اثر متقابل پایین هستند.

برای عملکرد دانه غیر از لاین های شماره ۸ بقیه لاین ها مخصوصاً لاین های شماره ۲ و ۳ دارای مقادیر پایین IPCA1 بودند. علاوه بر این میانگین عملکرد دانه این دو لاین بیشتر از

جدول ۷- مقادیر مؤلفه های اصلی اول و دوم و پارامتر ارزش پایداری امی (ASV) برای عملکرد دانه و عملکرد علوفه خشک لاین های امیدبخش سورگوم دو منظوره

Table 7. First and second main components and ASV parameter for grain yield and dry forage yield of promising lines of dual purpose sorghum

شماره No.	Line	لاین Line	Grain			دانه			Forage			علوفه		
			عملکرد دانه Grain yield (tha^{-1})	IPCA1	IPCA2	ASV	عملکرد علوفه خشک Dry forage yield (tha^{-1})	IPCA1	IPCA2	ASV	عملکرد علوفه خشک Dry forage yield (tha^{-1})	IPCA1	IPCA2	ASV
1	KDFGS4		8.16	-0.88	-0.12	1.29	26.15	2.23	0.46	2.97	41.87	66.61	-	
2	KDFGS6		8.42	-0.37	0.96	1.24	24.57	0.14	0.79	1.04				
3	KDFGS9		8.71	0.05	1.23	1.48	23.17	0.55	0.74	0.98				
4	KDFGS10		8.47	-0.72	-0.02	0.86	24.02	1.09	-0.83	1.78				
5	KDFGS12		8.08	-0.53	-1.09	1.46	24.62	0.62	-1.56	2.18				
6	KDFGS13		7.91	-0.48	-0.79	1.11	22.75	-0.48	0.41	0.82				
7	KDFGS16		8.23	0.30	0.81	1.04	21.46	-1.16	0.92	1.93				
8	KDFGS20		7.83	1.94	-0.30	2.36	21.30	-2.17	-0.02	2.82				
9	KDFGS26		6.38	-0.10	-0.11	0.18	26.11	-0.02	1.08	1.40				
10	KDFGS30		7.43	0.79	-0.57	1.17	23.42	-0.79	-1.98	3.62				
درصد تجمعی Cumulative percentage			-	40.10	67.80	-	-							

ASV: AMMI Stability Value.

جدول ۸- چهار ژنوتیپ برتر انتخاب شده به ترتیب اولویت در هر محیط (ترکیب سال و مکان)
توسط روش امی (AMMI)

Table 8. Top four Lines, in the order of priority, in each environment
(combination of year and location) selected by AMMI model

عملکرد دانه	Grain				دانه	Forage				علوفه
	اولین ژنوتیپ انتخابی	First selected genotype	دومین ژنوتیپ انتخابی	Second selected genotype		سومین ژنوتیپ انتخابی	Third selected genotype	چهارمین ژنوتیپ انتخابی	Fourth selected genotype	
2014										
Isfahan	6.97	4	1	2	3	9.35	9	1	2	5
Birjand	7.45	5	4	6	1	13.64	9	1	2	5
Moghan	9.38	3	2	7	4	18.13	1	9	2	5
Karaj	10.54	5	6	8	10	21.70	10	5	9	2
2015										
Isfahan	5.81	3	8	7	2	14.23	9	2	8	7
Birjand	6.29	8	3	7	2	19.30	9	8	10	2
Moghan	8.37	3	2	7	4	34.54	5	1	4	10
Karaj	8.88	3	2	7	4	59.16	1	9	2	3

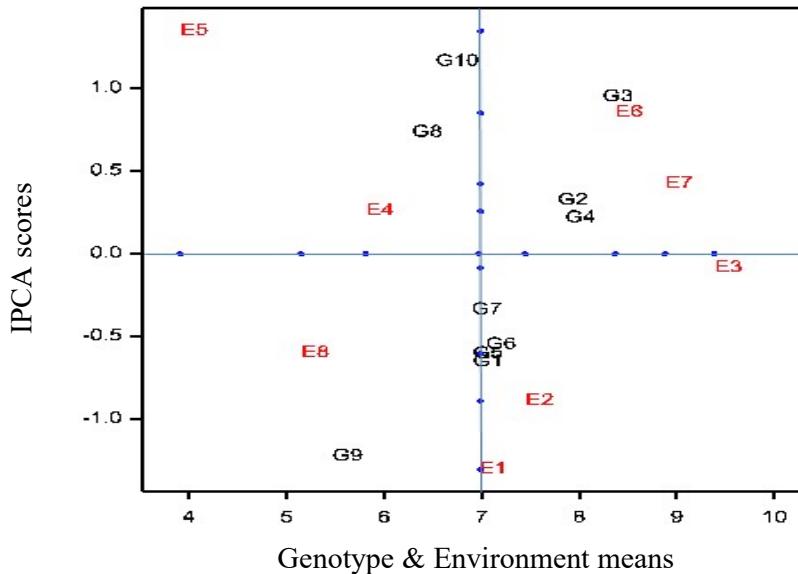
هکتار و محور عمودی اثر متقابل ضرب پذیر یا مقادیر اولین مؤلفه اصلی (IPCA1) یعنی ضرایب عاملی، برای ژنوتیپ‌ها و محیط‌ها به طور جداگانه می‌باشد. در بای‌پلات مذکور دو جفت از داده‌ها روی محورهای نمایش داده شده‌اند. اولین جفت مربوط به میانگین عملکرد هر ژنوتیپ (محور افقی) و مقادیر اولین مؤلفه اصلی هر ژنوتیپ (محور عمودی) و دومین جفت مربوط به میانگین عملکرد هر محیط (محور افقی) و مقادیر اولین مؤلفه اصلی هر محیط (محور عمودی) می‌باشد.

خزائی و همکاران (Khazaei *et al.*, 2019) نیز با استفاده از روش AMMI ژنوتیپ‌های

لاین‌های شماره ۹، ۱، ۲ و ۵ در بیرون‌جند لاین‌های ۵، ۲ و ۹ و در مغان لاین‌های شماره ۲، ۸ و ۹ و در کرج لاین شماره ۱ انتخاب شدند (جدول ۸). در روش ارزش پایداری امی (ASV) لاینی پایدار محسوب می‌شود که ارزش پایداری کمتری داشته باشد. لاین‌های شماره ۹ و ۳ به ترتیب از لحاظ عملکرد دانه و علوفه خشک دارای پایین‌ترین ارزش پایداری امی (ASV) بودند (جدول ۷).

برای ارزیابی روابط ژنوتیپ‌ها و محیط‌ها از نمایش گرافیکی بای‌پلات استفاده شد. در بای‌پلات شکل ۱ محور افقی نمایانگر اثر اصلی افزایشی یا میانگین عملکرد دانه بر حسب تن در

Plot of Gen & Env IPCA 1 scores versus means



شکل ۱- بای‌پلات میانگین ژنوتیپ‌ها و محیط‌ها و مقادیر اولین مؤلفه اصلی (عملکرد دانه)

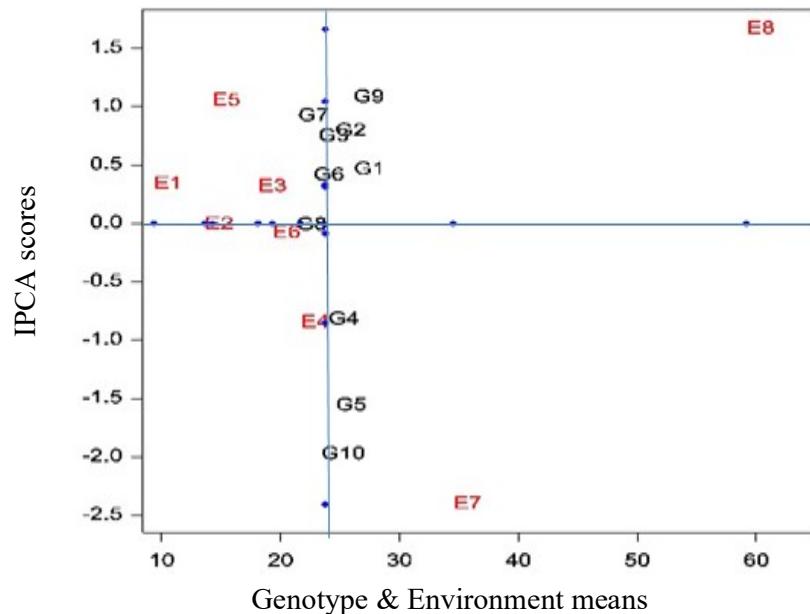
Fig. 1. Biplot of mean of genotypes and environments and the values of the first principal components (Grain yield)

دقیق‌تر پایداری ژنوتیپ‌ها و محیط‌ها، تجزیه خوش‌های بر اساس مقادیر اولین مؤلفه اصلی ژنوتیپ‌ها و همچنین محیط‌ها (شکل ۳ و ۴) انجام شد. تجزیه خوش‌های برای عملکرد دانه مقادیر اولین مؤلفه اصلی برای ژنوتیپ‌ها چهار گروه ژنوتیپی را مشخص نمود که گروه اول شامل ژنوتیپ‌های شماره ۱، ۵، ۳ و ۶ دارای عملکرد بالا، گروه دوم شامل ژنوتیپ‌های شماره ۸ و ۱۰ دارای عملکرد متوسط، گروه سوم فقط ژنوتیپ شماره ۹ دارای عملکرد پایین و گروه چهارم شامل ژنوتیپ‌های شماره ۲، ۴، و ۳ دارای بالاترین عملکرد دانه بودند (شکل ۳).

سورگوم علوفه‌ای دارای سازگاری به محیط‌های مختلف را معرفی کردند و گزارش کردند که ژنوتیپ‌هایی که در مرکز بای‌پلات قرار گرفتند، اثر متقابل نزدیک به صفر را دارند و دارای پایداری عمومی بیشتری هستند. برای عملکرد علوفه تر ژنوتیپ‌های ۱، ۱۵، ۱۲، ۳، ۵، ۹ و ۱۴ دارای اثر متقابل کم و برای عملکرد علوفه خشک ژنوتیپ‌های ۲، ۴، ۱۲، ۸ و ۱۵ دارای اثر متقابل کم بودند (شکل ۲).

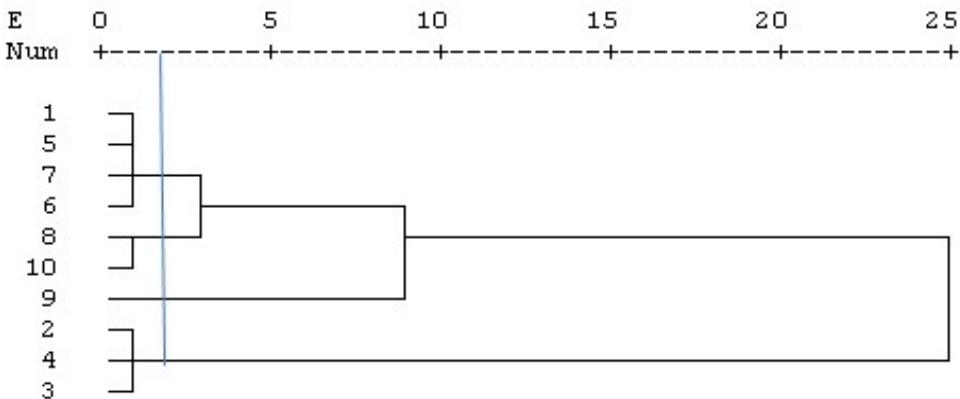
برای تجزیه واکنش ژنوتیپی (استفاده همزمان از تفکیک‌های دسته‌بندی و بردار یابی) و بررسی

Plot of Gen & Env IPCA 2 scores versus means



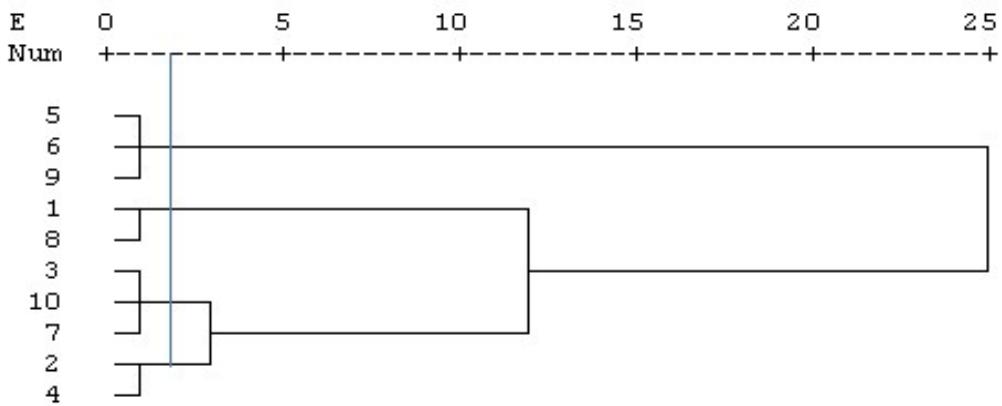
شکل ۲- بای‌پلات میانگین ژنوتیپ‌ها و محیط‌ها و مقادیر مؤلفه اصلی آن‌ها (عملکرد علوفه خشک)

Fig. 2. Biplot of mean of genotypes and environments and the values of the principal components (Dry forage yield)



شکل ۳- دندروگرام گروه‌بندی ژنوتیپ‌ها بر اساس اولین مؤلفه اصلی اثر متقابل (عملکرد دانه)

Fig. 3. The dendrogram of genotypes grouping based on the first principal components of interaction (Grain yield)



شکل ۴- دندروگرام گروه‌بندی ژنوتیپ‌ها بر اساس مؤلفه اصلی اثر متقابل (عملکرد علوفه خشک)
Fig. 4. The dendrogram of genotypes grouping based on the principal components of interaction (Dry forage yield)

ژنوتیپ‌هایی که در مرکز بای‌پلات قرار گرفته‌اند، اثر متقابل نزدیک به صفر را دارند و دارای پایداری عمومی بیشتری هستند برای عملکرد دانه ژنوتیپ‌های شماره ۲ و ۳ دارای اثر متقابل کم می‌باشند و برای عملکرد علوفه ژنوتیپ‌های شماره ۱ و ۹ دارای اثر متقابل کمتر می‌باشند.

سپاسگزاری
نگارنده‌گان از مدیریت بخش تحقیقات ذرت و گیاهان علوفه‌ای موسسه تحقیقات اصلاح و تهیه نهال و بذر و کارکنان مراکز تحقیقاتی محل اجرای پروژه که در اجرای این پژوهش به مدت دو سال با مجریان همکاری و مساعدت لازم مبذول داشتند، سپاسگزاری می‌کنند.

در تجزیه خوشای برای عملکرد علوفه مقادیر اولین مؤلفه اصلی برای ژنوتیپ‌ها چهار گروه ژنوتیپی مشخص شد که گروه اول شامل ژنوتیپ‌های شماره ۵، ۶ و ۹ گروه دوم ژنوتیپ‌های شماره ۱ و ۸ گروه سوم ژنوتیپ‌های شماره ۳، ۷ و ۱۰ گروه چهارم ژنوتیپ‌های شماره ۲ و ۴ بودند (شکل ۴).

با توجه به مدل AMMI و پارامتر ارزش پایداری‌امی (ASV)، لاین‌های شماره ۲ و ۳ با عملکرد دانه ۸/۴۲ و ۸/۷۱ تن در هکتار و پایداری بالا، مناسب‌ترین لاین‌ها به منظور ارقام دومنظوره با اولویت تولید دانه انتخاب می‌شوند و لاین‌های شماره ۹ و ۱ با عملکرد علوفه ۲۶/۱۱ و ۲۶/۱۵ تن در هکتار به عنوان ارقام دومنظوره با اولویت تولید علوفه شناسایی شدند.

References

- Adugna, A. 2008.** Assessment of yield stability in sorghum using univariate and multivariate statistical approaches. *Hereditas* 145 (1): 28-37.
- Allard, R. W., and Bradshaw, A. D. 1964.** Implication of genotype-environment interactions in applied plant breeding. *Crop Science* 4: 503-508.
- Basafa, M., Taheri, M., and Beheshti, A. R. 2014.** Stability analysis for forage yield in sorghum lines. *Agronomy Journal (Pajouhesh and Sazendagi)* 107: 99 – 107 (in Persian).
- Crossa, J. 1990.** Statistical analyses of multilocation trials. *Advances in Agronomy* 44: 55-85.
- Farshadfar, E., and Sutka, J. 2006.** Biplot analysis of genotype-environment interaction in durum wheat using the AMMI model. *Acta Agronomica Hungarica* 54 (4): 459-467.
- Farshadfar, E. 2008.** Incorporation of AMMI stability value and grain yield in a single non-parametric index (GSI) in bread wheat. *Pakistan Journal of Biological Sciences* 11: 1791-1796.
- Farshadfar, E. 1998.** Application of biometrical genetics in plant breeding. 2nd edition. Razi University Publications. Kermanshah, Iran. 396 pp. (in Persian).
- Fouman, A. 2012.** Evaluation of dual purpose forage and grain sorghum lines in preliminary yield trail. Seed and Plant Improvement Institute. Final Research Project Report No. 03-03-90015. (in Persian).
- Gauch, H. G. 1988.** Model selection and validation for yield trials with interaction. *International Biometric Society* 44: 705-715.
- Gauch, H. G. 1990.** Full and reduced models for yield trials. *Theoretical and Applied Genetics* 80: 153-163.
- Gauch, H. G. 1992.** Statistical analysis of regional yield trials: AMMI analysis of factorial designs. Elsevier. Amsterdam, Netherlands. 256 pp.
- Ghasemi, M., Khalilzadeh, Gh. R. and Gharib Eshghi, A., and Vehabzadeh, M. 2004.** Study on grain yield, yield components and green fodder of triticale and barley cultivars. *Seed and Plant Journal* 20 (3): 345-357 (in Persian).

- Gollob, H. F. 1968.** A Statistical model which combines features of factor analytic and analysis of variance techniques. *Psycometrika* 33: 367-376.
- Hongyu, K., García-Peña, M., Araújo, L. B. D., and Dias, S. 2014.** Statistical analysis of yield trials by AMMI analysis of genotype × environment interaction. *Biometrical Letters* 51(2): 89-102.
- Katsura, K., Tsujimoto, Y., Oda, M., Matsushima, K. I., Inusah, B., Dogbe, W., and Sakagami, J. I. 2016.** Genotype by environments interaction analysis of rice (*Oryza* spp.) yield in a flood plain ecosystem in West Africa. *European Journal of Agronomy* 73: 152- 159.
- Khazaei, A., Torabi, M., Mokhtarpour H., and Beheshti, A. R. 2019.** Evaluation of yield stability of forage sorghum [*Sorghum bicolor* (L.) Moench] genotypes using AMMI analysis. *Iranian Journal of Crop Sciences* 21 (3): 225 -236 (in Persian).
- Lin, C. S., and Binns, M. R. 1991.** A method of analyzing cultivar × location × year experiments: a new stability parameter. *Theoretical and Applied Genetics* 75: 425-430.
- Lin, C. S., Binns M. R., and Lefcovitch L. P. 1986.** Stability analysis: where do we stand? *Crop Science* 26: 894-900.
- Mohammadi, R., Armion, M., Shabani, A., and Daryaei A. 2007.** Identification of stability and adaptability in advanced durum wheat genotypes using AMMI analysis. *Asian Journal Plant Science* 6: 1261-1268.
- Purchase, J. L. 1997.** Parametric analysis to describe genotype × environment interaction and yield stability in winter wheat. Ph.D. Thesis, Department of Agronomy, Faculty of Agriculture of the University of the Free State, Bloemfontein, South Africa. 166 pp.
- Rattunde, H. F. W. 2006.** Early-maturing dual-purpose sorghums: agronomic trait variation and covariation among landraces. *Plant Breeding* 117 (1): 33–36.
- Resende, J. A., Pereira, M. N., Von Pinho, R. G., Fonseca, A. H., and Pereira da Silva, A. R. 2003.** Ruminal silage degradability and productivity of forage and grain-type sorghum cultivars. *Scientia Agricola* 60 (3): 457-463.
- Rodrigues, P. C., Malosetti, M., Gauch, H. G., and van Eeuwijk, F. A. 2014.** A

weighted AMMI algorithm to study genotype-by-environment interaction and QTL-by-environment interaction. Crop Science 54 (4): 1555-1570.

- Rono, J. K., Cheruiyot, E. K., Othira, J. O., Njuguna, V. W., Macharia, J. K., Owuocche, J., Oyier, M., and Kange, A. M. 2016.** Adaptability and stability study of selected sweet sorghum genotypes for ethanol production under different environments using AMMI analysis and GGE biplots. The Scientific World Journal: 1-14.
- Woreda, F., Mamo, M., Assefa, S., Gebremariam, T., and Beze, Y. 2020.** Yield stability and adaptability of lowland sorghum (*Sorghum bicolor* (L.) Moench) in moisture-deficit areas of Northeast Ethiopia. Cogent Food and Agriculture 6 (1): 1-13.
- Zobel, R. W., and Gauch, H. G. 1988.** Statistical analysis of a yield trial. Agronomy Journal 80: 388-393.