Rostaniha 20(2): 188-191 (2019) - Short Report

DOI: 10.22092/BOTANY.2019.126049.1150 **Radulidium subulatum, new taxon for mycobiota of Iran** Received: 31.07.2019 / Accepted: 04.12.2019

Samira Karimzadeh: MSc Student of Plant Pathology, Department of Plant Protection, Faculty of Agricultural Science and Engineering, College of Agriculture and Natural Resources, University of Tehran, Karaj, 31587-77871, Iran

Khalil-Berdi Fotouhifar⊠: Associate Prof. in Mycology, Department of Plant Protection, Faculty of Agricultural Science and Engineering, College of Agriculture and Natural Resources, University of Tehran, Karaj, 31587-77871, Iran (fotowhi@ut.ac.ir)

Alfalfa (*Medicago sativa* L.), a member of Fabaceae family, is a perennial or permanent plant with upright and very deep root that penetrates up to three meters into the soil, and therefore is the source of vitamins and minerals that takes from the soil. This plant is very important in terms of chemical and pharmaceutical compositions. In order to identify the fungi accompaning leaf spot symptoms of the alfalfa, leaves with leaf spot symptoms were collected from Sheikh Ali Khan region of the Chaharmahal and Bakhtiari province (Iran) during July 2018. The samples were transferred to laboratory and then small pieces (5×5 mm) were cut from the margin of leaf spots. Resulting leaf pieces were surface disinfested with 1% sodium hypochlorite for 30 sec. and then washed three times with sterilized water and were put on sterilized filter paper to remove excess water. Disinfested leaf pieces were transferred to Petri dishes containing PDA culture medium and the grown fungal colonies were kept for seven days at 25 °C in continuous dark condition. Of the obtained fungal isolates, one isolate was identified as *Radulidium subulatum* (de Hoog) Arzanlou, W. Gams & Crous based on morphological features. According to the available literatures, this is the first report of *Radulidium subulatum* for mycobiota of Iran.

The diameter of the fungus colony on malt extract agar (MEA) after 14 days of growth at 24 °C in continuous dark condition were 50 mm, and the colony of the fungus was pale gray in color (Fig. 1a). Conidiophores were pale brown, smooth, tapering toward the apex and have short conspicuous denticles at the tip, where the conidia were attached to the conidiophores. Denticles were densely crowded, prominent, blunt at the end and pale brown in color. The dimension of the conidiophores were $14-28(21) \times 1.5-3(2.25)$ µm (Fig. 1 b–d). Conidia were solitary, single-celled, smooth, ellipsoid, pale brown and $4-7(5.5) \times 1.5-2(1.75)$ µm in diameter. Conidia had short hilum with about one micrometer in length (Fig. 1 e, f).

Specimen examined: Iran: Chaharmahal and Bakhtiari province, Sheikh Ali Khan farms, on *Medicago sativa* L., 11.07.2018, Samira Karimzadeh, isolate ShnY2-1 (isolate in the Agricultural Microbial Culture Collection of Agricultural Biotechnology Research Institute of Iran, Karaj ABRIICC 10176).

According to the literature review, the morphological features of the investigated isolate were the same with description of R. subulatum provided by Arzanlou *et al.* (2007). In addition to the investigated isolate, isolates of *Phoma* and *Aspergillus* were also recovered from the same leaf spot symptoms of the alfalfa plants.

The genus *Radulidium* has four described species that are morphologically distinct from each other. In *R. epichloes*, the size of the conidia $[(4.5-)7-8(-11) \times 2-$ 3 µm] (Arzanlou *et al.* 2007) are considerably bigger than that of *R. subulatum*. Also, the conidia of this species are verruculose. The size of the conidia in *R. xigazense* (Wu *et al.* 2013) (5-7 × 1.5-2 µm) is similar to that of *R. subulatum*, but conidia of *R. xigazense* have several oil droplets. In *R. guttiforme* (Jiang *et al.* 2018), conidia are guttiform or obovoid and their size (3.6–5 × 2.5–4 µm) is somewhat similar to that of *R. subulatum* while the conidia of the *R. guttiforme* are finely echinulate.

The ITS1-5.8S-ITS2 region was amplified and sequenced for phylogenetic comparison of the

investigated isolate with close isolates and species and confirmation of its morphological identification. The obtained sequence in this study (accession No. MN658424) was 93% similar to the validated sequences of this species in the GenBank (NCBI), and generated maximum likelihood (ML) phylogenetic tree in MEGA Ver. 6.0 software, based on sequence data of ITS regions of the investigated isolate and obtained sequences from GenBank and *Pseudovirgaria hyperparasitica* (EU041767.1) as outgroup taxon, showed that, the studied isolate closely related to *R. subulatum* and placed in a well-supported group with other isolates of this species and resolved clearly from other species of this genus, *Radulidium epichloes* in the phylogenetic tree (Fig. 2).



Fig. 1. *Radulidium subulatum*, isolate ShnY2-1: a. Colony on MEA after 14 days at 24 °C in continous dark condition, b-d. Conidiophores and conidia, e & f. Conidia.



0.50

Fig. 2. Phylogenetic tree inferred by maximum likelihood method in MEGA Ver. 6.0 using nucleotide sequences of ITS1-5.8S-ITS2 region of *Radulidium* isolates including isolate ShnY2-1. Solid circle shows the obtained isolate in the present study. Numbers on branches are bootstrap values of 1000 replicates. *Pseudovirgaria hyperparasitica* (EU041767.1) was used as outgroup taxon.

References

Arzanlou, M., Groenewald, J.Z., Gams, W. Braun, U., Shin, H.-D. & Crous, P.W. 2007. Phylogenetic and morphotaxonomic revision of *Ramichloridium* and allied genera. Studies in Mycology 58: 57–93.
Jiang, Y.-L., Wu, Y.-M., Xu, J.-J., Kong, J.-H. & T.-Y., Zhang. 2018. *Endophragmiella terricola*,

Gliomastix verrucipes, and Radulidium guttiforme

spp. nov. from soil in China. Mycotaxon 133: 301–305.

Wu, Y.-M., Xu, J.-J., Wang, H.-F. & T.-Y., Zhang. 2013. Radulidium xigazense sp. nov., Rhinocladiella tibetensis sp. nov., and three new records of Ramichloridium from China. Mycotxon 125: 123–130.

گونه Radulidium subulatum، آرایه جدیدی برای بیوتای قارچی ایران^{*} دریافت: ۱۳۹۸/۰۵/۰۹ / پذیرش: ۱۳۹۸/۰۹/۱۳

سمیرا کریمزاده: دانشجوی کارشناسی ارشد، رشته بیماریشناسی گیاهی، گروه گیاهپزشکی، دانشکده علوم و مهندسی کشاورزی، پردیس کشاورزی و منابع طبیعی، دانشگاه تهران، کرج، ۷۹۸۷۱–۷۹۵۲۳، ایران خلیل بردی فتوحی فر⊠: دانشیار قارچشناسی، گروه گیاهپزشکی، دانشکده علوم و مهندسی کشاورزی، پردیس کشاورزی و منابع طبیعی، دانشگاه تهران، کرج، ۷۹۸۷–۱۵۸۷۷، ایران (fotowhi@ut.ac.ir)

یونجه (... Medicago sativa L) متعلق به تیره باقلاییان، گیاهی چندساله یا دایمی با ریشهای راست و بسیار عمیق است که تا سه متر به داخل زمین نفوذ می کند. این گیاه منبعی از ویتامینها و مواد معدنی است که از خاک جذب مینماید و بنابراین، بـه لحـاظ

داشتن ترکیبات شیمیایی و دارویی، بسیار حایز اهمیت است. به منظور شناسایی قارچهای همراه علایم لکه بر گی گیاه یونجه، در تیر ماہ سال ۱۳۹۷ نمونے ہے از برگ ہای دارای علایے لکے برگی از منطقه شيخ عليخان واقع در استان چهارمحال و بختياري جمع آوري شدند. پس از انتقال نمونه ها به آزمایشگاه، قطعاتی از بخش های آلوده گیاهان به اندازه ۵/۰ در ۵/۰ سانتی متر بریده شدند. ضدعفونی سطحی قطعات گیاهی آلوده به مدت ۳۰ ثانیه با محلول هیپوکلریت سديم يک درصد و متعاقب آن سه بار شستشو با آب مقط ر اسـتريل و آب گیری با کاغذ صافی استریل صورت گرفت. سپس قطعات گیاهی روی محیط کشت آب–آگار (WA) دو درصد قـرار داده شـدند. جهـت خالص سازی، جدایه های به دست آمده به روش نوک ریسه، به محیط کشت سیب زمینے-دکستروز-آگار (PDA) منتقل و پر گنههای قارچی به مدت هفت روز در دمای ۲۵ درجه سلسیوس و تاریکی مداوم نگهداری شدند. از بین جدایه مای به دست آمده، براساس خصوصیات ریختشناختی، یک جدایه از قارچ Radulidium subulatum (de Hoog) Arzanlou, W. Gams & Crous شناسایی شد. براساس منابع موجود، این گونه برای نخستین بار برای بیوتای قارچی ایران گزارش میشود.

قطر پرگنه قارچ روی محیط کشت عصاره-مالت-آگار (MEA) بعد از ۱۴ روز رشد در دمای ۲۴ درجه سلسیوس و شرایط تاریکی مداوم، ۵۰ میلیمتر بود و پرگنه قارچ به رنگ خاکستری روشن دیده شد (شکل ۵۱). کنیدیوم برها به رنگ قهوهای روشن و صاف بودند و به طرف انتها باریکتر می شدند و در رأس آنها و در محل اتصال کنیدیومها، زواید (denticles) مشخصی دیده شدند. این زواید که در انتها حالت تخت داشتند به تعداد زیاد و متراکم و برجسته بودند و به رنگ قهوهای روشن دیده شدند. ابعاد کنیدیومبرها (۲/۲۵) ۲–۱/۵ × ۲(۲) ۲–۱۴ میکرومتر اندازه گیری شدند (شکل ۵ م). کنیدیومها منفرد، تک سلولی، بیضوی، به رنگ قهوهای روشن و سطح آن ها صاف بود. ابعاد کنیدیومها به ارتفاع تقریبی یک میکرومتر بودند (شکل ۵ م و آرای هیلومی به ارتفاع تقریبی یک میکرومتر بودند (شکل ۵ م و آرای ه

نمونه بررسی شده: استان چهارمحال و بختیاری، مزارع شیخ علیخان، از گیاه یونجه (.*Medicago sativa* L)، ۱۳۹۷/۴/۲۰، سمیرا کسریمزاده، جداییه 1-ShnY2 (جدایه در کلکسیون میکروارگانیسمهای تخصصی کشاورزی، پژوهشگاه بیوتکنولوژی کشاورزی ایران، کرج ABRIICC 10176).

براساس بررسیهای انجام شده، خصوصیات ریختشناختی جدایه مورد بررسی با توصیف گونه *R. subulatum* ارایه شده توسط ارزنلو و همکاران (Arzanlou *et al.* 2007) مطابقت داشت. علاوه بر جدایه مورد بررسی، از علایم مشابه جدایههای قارچی مربوط به جنسهای *Phoma* و Aspergillus نیز به دست آمدند.

در جنس Radulidium چهار گونه توصيف شده است كه از نظر ویژگیهای ریختشناختی به راحتی از یکدیگر قابل تفکیک میباشند. در گونه R. epichloes اندازه کنیدیومها [۲-۳ × (۱۱-)۷-(۴/۵–۸) میکرومتر (Arzanlou *et al.* 2007) نسبت به گونه R. subulatum به طور قابل تـوجهی بـزرگتـر اسـت. همچنـین، در سطح کنیدیومهای این گونه تزییناتی نیز به صورت خارهای ریز R. xigazense وجود دارد. اندازه کنیدیومهای گونه (verruculose) (Wu et al. 2013) (السبب گونیه ۷-۵ × ۱/۲-۵) (Wu et al. 2013) R. subulatum بسیار نزدیک است، اما درون کنیدیومهای این گونه چندین قطرہ چرہی وجرد دارد کے این وضع در گونہ Jiang et al.) R. guttiforme وجود ندارد. در گونه R. subulatum 2018) کنیدیومها به شکلهای قطرهای (guttiform) یا واژتخـممرغـی بوده و اندازه آنها ۴-۲/۵ × ۵-۳/۶ میکرومتر تا است، ولی در سطح R. subulatum است، ولی در سطح کنیدیومهای گونه R. guttiforme تزیینات برجسته و مشخصی (echinulate) وجود دارد.

به منظ ور مقایسه فیل وژنتیکی جدایه مورد بررسی با گونههای نزدیک و تایید تشخیص ریخت شناختی آن، ناحیه (malo دسترسی MN658424)، با توالی شد. توالی به دست آمده (شماره دسترسی MN658424)، با توالی های معتبر ثبت شده از این گونه در بانک ژن (NCBI)، با توالی های معتبر ثبت شده از این فیلوژنتیکی حداکثر احتمال (NCBI)، با توالی های معتبر ثبت شده و شره فیلوژنتیکی حداکثر احتمال (MM658424) ترسیم شده مورد بررسی و توالی های حاصل از بانک ژن از این گونه و گونه مورد بررسی و توالی های حاصل از بانک ژن از این گونه و گونه نزدیک به آن و همچنین توالی حاصل از بان ک ژن از این گونه و گونه مورد بررسی با نمونه های معتبر مربوط به این گونه در یک گروه مجزا با بررسی با نمونه های معتبر مربوط به این گونه در یک گروه مجزا با مقدار اعتبارسنجی زیاد قرار می گیرد. همچنین، در شجره مقدار اعتبارسنجی زیاد قرار می گیرد. همچنین، در شجره مقدار اعتبارسنجی زیاد قرار می گونه در یک گروه مجزا با دلیوزنتیکی حاصل، جدایههای گونه هریک شدهاند (شکل ۲).

^{*} مستخرج از پایاننامه کارشناسی ارشد نگارنده نخست به راهنمایی دکتر خلیلِبِردی فتوحیفر ارایه شده به پردیس کشاورزی و منابع طبیعی، دانشکده علوم و مهندسی کشاورزی، گروه گیاهپزشکی، دانشگاه تهران