

تجزیه میانگین نسل‌ها برای عملکرد دانه و صفات مرتبط با آن در ذرت

Generation Mean Analysis for Grain Yield and Its Associated Traits in Maize

مهدى زارع^۱، رجب چوکان^۲، اسلام مجیدى هروان^۳ و محمدرضا بى همتا^۴

۱- دانشجوی سابق دکتری اصلاح نباتات، دانشگاه آزاد اسلامی واحد علوم و تحقیقات، تهران

۲- استادیار، مؤسسه تحقیقات اصلاح و تهیه نهال و بذر، کرج

۳- استاد، پژوهشکده بیوتکنولوژی کشاورزی ایران، کرج

۴- استاد، دانشکده کشاورزی دانشگاه تهران، کرج

تاریخ پذیرش: ۱۳۸۶/۵/۴

تاریخ دریافت: ۱۳۸۵/۱۱/۲۱

چکیده

زارع، م.، چوکان، ر.، مجیدی هروان، ا.، و بی همتا، م. ر. ۱۳۸۷. تجزیه میانگین نسل‌ها برای عملکرد دانه و صفات مرتبط با آن در ذرت. *نهال و بذر*. ۶۳-۸۱: ۲۴.

انتخاب روش اصلاحی مناسب بستگی به نظام ژنتیکی کنترل کننده صفت گزینش شده دارد. هدف از این مطالعه، تعیین پارامترهای ژنتیکی عملکرد و صفات مرتبط با آن، با استفاده از تجزیه میانگین نسل‌های P_1 , P_2 , F_1 , F_2 , $K3218$ و $K3653/5$ حاصل از تلاقی $K3218$ با لینه‌های اینبرد ۱/۱ و $K74/1$ ذرت بود. تمامی نسل‌ها در سال ۱۳۸۴ در قالب طرح بلوک‌های کامل تصادفی (RCBD) با سه تکرار کاشته شدند. برای تمامی صفات مورد مطالعه در هر دو تلاقی، تفاوت‌های معنی دار بین شش نسل فوق مشاهده شد. تجزیه میانگین نسل‌ها نشان داد که اثر ژئی غالیست، بیش از اثر ژئی افرایشی و اپیستازی در توارث اکثر صفات مورد مطالعه نقش دارد. متوسط وراثت پذیری عمومی برای صفات مورد مطالعه در تلاقی $K3218 \times K74/1$ بین ۰/۴۱ تا ۰/۷۰ و در تلاقی $K3653/5 \times K3218$ بین ۰/۳۳ تا ۰/۸۳ متغیر بود. دامنه وراثت پذیری خصوصی در تلاقی $K3218 \times K74/1$ بین ۰/۵۷ تا ۰/۰۱ و در تلاقی $K3218 \times K3653/5$ بین ۰/۰۱ تا ۰/۷۳ بود.

واژه‌های کلیدی: ذرت، تجزیه میانگین نسل‌ها، وراثت پذیری، عملکرد دانه.

مقدمه

جو نشان داد که برای سه صفت تعداد سنبله، عملکرد دانه در بوته و عملکرد بیولوژیکی بوته، عمدتاً اثر غالیت به همراه اثر متقابل افزایشی × افزایشی نقش عمداتی در کنترل توارث ایفاء می‌کند (Baghizadeh *et al.*, 2004).

با استفاده از تجزیه میانگین نسل‌های P₁، P₂، F₁، F₂، BC₁ و BC₂ در گندم مشاهده گردید که اثر اپیستازی، نقش مهمی در کنترل صفات ارتفاع بوته، تعداد دانه در سنبله، سطح برگ پرچم و وزن هزار دانه داشته است (Akhtar and Chowdhry, 2006) و همکاران (Novoselovic *et al.*, 2004) اظهار داشتند که در گندم، اثر غالیت و اپیستازی افزایشی × افزایشی برای صفات عملکرد دانه در گیاه و وزن تک دانه، دارای اهمیت بیشتری نسبت به اثر افزایشی و اثر اپیستازی است. در تحقیق دیگری پراکاش و همکاران (Prakash *et al.*, 2006) دریافتند که اثر غالیت به همراه اثر افزایشی، اثر متقابل افزایشی × غالیت و اثر متقابل افزایشی × افزایشی، در کنترل صفات مورد بررسی در گندم نقش داشته است.

اکثر نتایج به دست آمده از تجزیه و تحلیل میانگین نسل‌ها در ذرت نشان‌دهنده این است که اثر افزایشی ژن‌ها اهمیت بیشتری نسبت به اثر غالیت در کنترل عملکرد دانه دارند (Lamkey and Lee, 2005). در تحقیق دیگری گزارش گردید که برای صفت عملکرد دانه ذرت، آثار افزایشی، غالیت و اپیستازی

انتخاب روش اصلاحی مناسب برای بهره‌برداری بهتر از پتانسیل ژنتیکی صفات مختلف زراعی در یک گیاه بستگی به نوع عمل ژن‌های کنترل کننده یک صفت و نحوه توارث آن‌ها دارد (Akhtar and Chowdhry, 2006). نوع عمل ژن و اثر ژنی، در بسیاری از گیاهان زراعی مطالعه شده است (Lamkey and Lee, 2005). یکی از بهترین روش‌ها برای تعیین پارامترهای ژنتیکی، روش تجزیه میانگین نسل‌ها است (Kearsey and Pooni, 1998). Singh and Singh, 1992 این روش علاوه بر اثر افزایشی و غالیت، قادر به برآورد اثر ژنی اپیستازی از قبیل افزایشی × افزایشی، غالیت × غالیت و افزایشی × غالیت نیز هست (Singh and Singh, 1992).

بسیاری از شواهد حاکی از آنست که همیشه نمی‌توان اثر اپیستازی را ناچیز در نظر گرفت (Ghannadha, 1998; Fazel Najafabadi *et al.*, 2004; Saha Ray *et al.*, 1994; Barakat, 1996; Bartual *et al.*, 1994; Hinze and Lamkey, 2003). با استفاده از تجزیه میانگین نسل‌ها در آفتابگردان نشان داده شد که اثر اپیستازی نقش بسزایی در کنترل صفات مورد مطالعه داشته است (Jovanovic and Marinkovic, 2006). نتایج تجزیه میانگین نسل‌های P₁، P₂، F₁، F₂ و F₃ در

و برای سایر صفات متوسط تا بالا بود. تفاوت بین برآوردهای قابلیت توارث خصوصی و عمومی برای اغلب صفات ناچیز بود. ول夫 و پترنلی (Wolf and Peterelli, 2000) اظهار داشتند که برای عملکرد دانه ذرت، واریانس غالیت مهم‌تر از واریانس افزایشی است، در حالی که برای صفات دیگر مرتبط با عملکرد، واریانس افزایشی مهم‌تر از واریانس غالیت بود. اثر اپیستازی اهمیت کمتری داشت.

در تحقیق دیگری مشخص شد که اپیستازی تأثیری بر روی عملکرد دانه ذرت نداشت (Hinze and Lamkey, 2003). ویدال-مارتینز (Vidal-Martinez *et al.*, 2001) و همکاران گزارش کردند که برای صفات وزن بلال، تعداد دانه در ردیف، تعداد ردیف در بلال، تعداد دانه در بلال، طول بلال و عملکرد دانه ذرت، بیشترین سهم به اثر غالیت تعلق داشت. با استفاده از تجزیه میانگین نسل‌ها در ذرت گزارش شد که اثر غالیت اهمیت بیشتری نسبت به اثر اپیستازی دارد (Azizi *et al.*, 2006). در تحقیق دیگری مشخص شد که برای صفت عملکرد دانه در ذرت، اثر غالیت نقش بیشتری نسبت به اثر افزایشی دارد. در حالی که برای صفت تعداد بلال در بوته اثر افزایشی مهم‌تر از اثر غالیت بود (Butruille *et al.*, 2004).

(Mihailov and Chernov, 2006) اظهار داشتند که در ذرت، اثر اپیستازی ژن‌ها در کنترل صفات عملکرد دانه، قطر بلال، تعداد دانه، تعداد بلال، تعداد روز تا گلدھی و تعداد

معنی‌دار بودند. در مورد وزن هزار دانه و تعداد ردیف دانه در بلال هر چند بیشترین نقش به آثار غالیت تعلق داشت ولی اثر افزایشی نیز وجود داشت. برای تعداد دانه در ردیف، بیشترین سهم مربوط به اثر غالیت بود ولی اثر افزایشی منفی قابل توجهی نیز مشاهده شد. درجه غالیت بالا نیز برای عملکرد دانه و عمق دانه حاکی از نقش اثر غالیت و فوق غالیت ژن‌ها در کنترل این صفات می‌باشد (Choukan, 2002).

آلوك و همکاران (Alok *et al.*, 1998) گزارش کردند که اثر افزایشی و غیر افزایشی ژن‌ها در ظاهر صفات کمی مثل ارتفاع گیاه، طول بلال، تعداد دانه در ردیف بلال و عملکرد دانه در ذرت مؤثر است. اثر غیر افزایشی ژن‌ها نیز برای صفات قطر بلال و تعداد ردیف دانه در بلال به صورت غالیت جزئی (نسبی) گزارش شد. میهالجیچ و همکاران (Mihaljevic *et al.*, 2005) با استفاده از تجزیه میانگین نسل‌ها در ذرت دریافتند که برای صفت عملکرد دانه اثر اپیستازی ناچیز بود.

رضایایی و هوشمند (Rezaie and Hushmand, 1997) با استفاده از تجزیه میانگین نسل‌ها در سورگوم دریافتند که اثر اپیستازی ژن‌ها در کنترل ژنتیکی صفات دخالت دارند. اثر افزایشی و غالیت ژن‌ها به صورت مشترک در توارث عملکرد دانه دخالت داشتند. متوسط وراثت‌پذیری عمومی برای تعداد برگ در ساقه و تعداد پنجه در بوته پائین

ردیف‌ها و بین بوته‌ها به ترتیب ۷۵ و ۲۰ سانتی‌متر و فاصله بین بلوک‌ها یک متر در نظر گرفته شد. کاشت بذرها در اردیبهشت ۱۳۸۴ به صورت خشکه کاری انجام شد و آبیاری بر حسب نیاز ظاهری گیاه در هر ۷-۱۰ روز یک بار به صورت شیاری (فاروئی) انجام شد. مقدار ۲۰۰ کیلوگرم کود اوره در هکتار قبل از کشت و مقدار ۲۰۰ کیلوگرم کود اوره در هکتار نیز به صورت سرک در زمان ۷-۹ برگه شدن ذرت مصرف شد. علف‌های هرز مزرعه با چند بار وجين دستی کنترل شدند. عمل تنک کردن در مرحله سه تا چهار برگی انجام شد. یادداشت برداری بر اساس تک بوته و پس از حذف حاشیه انجام شد، بدین ترتیب که در هر کرت موجود در هر تکرار، تعداد ده بوته برای هر یک از والدین، ۱۵ بوته برای نسل F_1 ، ۲۰ بوته برای نسل‌های BC_1 و BC_2 و ۳۰ بوته برای نسل F_2 اتيکت‌گذاری شدند و صفات تعداد روز تا ظهور کاکل، تعداد روز تا رسیدن فیزیولوژیک، ارتفاع بوته، ارتفاع بلال، رسیدن فیزیولوژیک، ارتفاع بوته، ارتفاع بلال، طول بلال، وزن صد دانه، عمق دانه، تعداد دانه در ردیف بلال، تعداد ردیف دانه در بلال و عملکرد دانه، یادداشت برداری شد. برای اندازه‌گیری صفات با مقیاس طولی از خطکش مدرج، برای صفات با مقیاس وزنی از ترازوی دیجیتالی با دقیق ۰/۱ گرم و برای اندازه‌گیری قطر بلال و قطر چوب بلال از کولیس استفاده شد.

روز تا رسیدگی دارای اهمیت هستند. اما برای صفات وزن چوب بلال، وزن صد دانه، تعداد روز از گرده دهی تا ظهور کاکل و طول تاسل اثر افزایشی و غالیت بیشترین تأثیر را داشتند. نتایج به دست آمده از تجزیه و تحلیل میانگین نسل‌ها در ذرت نشان داد که اثر اپیستازی افزایشی \times افزایشی در کنترل عملکرد دانه ذرت نقش بسزایی داشته است (Melchinger *et al.*, 1990).

در این تحقیق، پارامترهای ژنتیکی با استفاده از روش تجزیه میانگین نسل‌ها برای صفات مختلف زراعی در ذرت تخمین زده شد. تجزیه واریانس نسل‌ها نیز بر روی صفات مورد مطالعه صورت گرفت. همچنین میزان وراثت‌پذیری عمومی، خصوصی و تعداد ژن کنترل کننده هر صفت، جهت تعیین بهترین روش اصلاحی برای هر صفت برآورد شد.

مواد و روش‌ها

بذر والدین و نسل‌های F_1 ، F_2 ، BC_1 و BC_2 حاصل از تلاقی‌های $K74/1 \times K3218$ و $5/5 \times K3653$ در قالب طرح بلوک‌های کامل تصادفی با سه تکرار، در مزرعه پژوهشی مؤسسه تحقیقات اصلاح و تهیه نهال و بذر کرج کاشته شد؛ به این ترتیب که در هر تکرار، نسل‌های والدینی در سه ردیف، نسل‌های F_1 ، BC_1 و BC_2 در چهار ردیف و نسل F_2 در شش ردیف کاشته شد. طول ردیف‌های کشت چهار متر و فاصله بین

ماتر و جینکز، اجزای تنوع از طریق فرمول‌های زیر محاسبه شدند:

$$\begin{aligned} D &= 4V_{F2} - 2(V_{BC1} + V_{BC2}) \\ H &= 4(V_{BC1} + V_{BC2} - V_{F2} - E_W) \\ F &= (V_{BC1} - V_{BC2}) \\ E_W &= \frac{1}{4}(V_{P1} + V_{P2} + 2V_{F1}) \end{aligned}$$

اجزای فرمول‌های فوق عبارتند از: E_W : جزء غیر قابل توارث (محیطی) تنوع، D : جزء افزایشی تنوع، H : جزء غالیت تنوع، F : همبستگی d و h روی تمام مکان‌های ژنی. جهت مشاهده انحرافات غالیت در مکان‌های ژنی متفاوت، میانگین درجه غالیت یعنی $(H/D)^{1/2}$ و $F/(D \times H)^{1/2}$ برآورد شد. درجه غالیت از نسبت اثر غالیت به اثر افزایشی به دست آمد. برای محاسبه وراثت‌پذیری عمومی از فرمول‌های مختلف زیر استفاده شد:

$$h^2_{bs} = \{[V_{F2} - (V_{P1} \times V_{P2})^{1/2}] / V_{F2}\}$$

(Mahmud and Kramer, 1951)

$$h^2_{bs} = \{[V_{F2} - (V_{P1} \times V_{P2} + V_{F1}) / 3] / V_{F2}\}$$

(Allard, 1960)

$$h^2_{bs} = \{[V_{F2} - (V_{P1} \times V_{P2} \times V_{F1})^{1/3}] / V_{F2}\}$$

(Warnner, 1952)

$$h^2_{bs} = \{[V_{F2} - (V_{P1} + V_{P2}) / 2] / V_{F2}\}$$

(Allard, 1960)

$$h^2_{bs} = \{[V_{F2} - (V_{P1} + V_{P2} + 2V_{F1}) / 4] / V_{F2}\}$$

(Mather and Jinks, 1982)

وراثت‌پذیری خصوصی (H_n) از طریق فرمول وارنر (Warnner, 1952) برآورد شد:

در ابتدا نسل‌های موجود برای کلیه صفات مورد تجزیه واریانس قرار گرفتند و با مشاهده تفاوت معنی دار در بین نسل‌ها، تجزیه میانگین نسل‌ها برای صفات فوق انجام شد. برای تجزیه و تحلیل میانگین نسل‌ها از روش ماتر و جینکز (Mather and Jinks, 1982) استفاده شد. در این روش میانگین کلی هر صفت به صورت زیر نشان داده می‌شود:

$$Y = m + \alpha[d] + \beta[h] + \alpha^2[i] + 2\alpha\beta[j] + \beta^2[l]$$

اجزای فرمول عبارتند از: Y : میانگین یک نسل، m : میانگین تمام نسل‌ها در یک تلاقی، $[d]$: مجموع اثر افزایشی، $[h]$: مجموع اثر غالیت، $[i]$: مجموع اثر متقابل بین اثر افزایشی \times افزایشی، $[j]$: مجموع اثر متقابل افزایشی \times غالیت، $[l]$: مجموع اثر متقابل غالیت \times غالیت، α و β : ضرایب هر یک از پارامترهای مدل هستند.

پارامترهای مختلف ژنتیکی با استفاده از نسل‌های P_1 , P_2 , F_1 , F_2 و BC_2 و BC_1 و با استفاده از حداقل مربعات وزنی (Weighted least square) (Mather and Jinks, 1982). از مدل‌های دو سه، چهار، پنج و شش پارامتری، در تبیین میانگین‌های مشاهده شده استفاده شد. این مدل‌ها به کمک آزمون χ^2 (کای اسکوئر) با چهار، سه، دو و یک درجه آزادی مورد بررسی قرار گرفته و بهترین مدل برای هر یک از صفات مشخص شد (Mather and Jinks, 1982).

نسل‌های مختلف حاصل از تلاقی‌های K3218 × K3653/5 و K3218 × K74/1 همچنین متوسط هتروژیس نسبت به میانگین والدین در هر دو تلاقی، به ترتیب در جدول‌های ۱ و ۲ آمده است. همان‌طور که مشاهده می‌شود، در تلاقی اول، درصد هتروژیس برای تمامی صفات مثبت بود که به جز صفات تعداد روز تا ظهر کاکل و تعداد ردیف دانه در بلال، در سطح احتمال ۱٪ نیز معنی‌دار بودند. بیشترین مقدار درصد هتروژیس برای عملکرد دانه (۵۰/۱ درصد) و کمترین مقدار آن برای تعداد ردیف دانه در بلال (۰/۶ درصد) به دست آمد. در تلاقی دوم، درصد هتروژیس برای صفت تعداد روز تا ظهر کاکل منفی و معنی‌دار در سطح احتمال ۱٪ و برای تعداد دانه در ردیف بلال منفی و غیر معنی‌دار بود، بنابراین نسل F₁ از نظر این دو صفت به طرف والد واجد مقدار کمتر صفت گرایش داشته است. درصد هتروژیس برای بقیه صفات مثبت و معنی‌دار در سطح احتمال ۱٪ بود. بیشترین مقدار درصد هتروژیس در صفت عملکرد دانه (۵۳/۸ درصد) و کمترین مقدار آن در تعداد روز تا رسیدن فیزیولوژیک (۳/۵ درصد) مشاهده شد. بنابراین چنین استنباط می‌شود که در هر دو تلاقی، روش‌های اصلاحی مبتنی بر دورگ‌گیری جهت بهبود صفات و در نهایت افزایش عملکرد، می‌تواند مؤثر واقع شود.

بر اساس نتایج تجزیه و تحلیل میانگین نسل‌ها (جدول‌های ۳ و ۴) در تلاقی اول

$$h_{ns}^2 = \{[2V_{F2} - (V_{BC1} + V_{BC2})]/V_{F2}\}$$

در انتهای به منظور محاسبه حداقل تعداد ژن کنترل کننده هر صفت (n) از فرمول‌های متفاوت زیر استفاده شد (Ghannadha, 1998):

$$n = (\mu_{P2} - \mu_{P1})^2 / [8(\sigma_{F2}^2 - \sigma_{F1}^2)]$$

$$n = (\mu_{P2} - \mu_{P1})^2 / \{8([\sigma_{F2}^2 - (0.5\sigma_{F1}^2 + 0.25\sigma_{P1}^2 + 0.25\sigma_{P2}^2)]\})$$

$$n = (\mu_{P2} - \mu_{P1})^2 / \{8([\sigma_{BC1}^2 + \sigma_{BC2}^2] - (\sigma_{F1}^2 + 0.5\sigma_{P1}^2 + 0.5\sigma_{P2}^2)]\}$$

$$n = (\mu_{F1} - \mu_{P1})^2 / \{4[\sigma_{BC1}^2 - 0.5(\sigma_{F1}^2 + \sigma_{P1}^2)]\}$$

$$n = (\mu_{P2} - \mu_{F1})^2 / \{4[\sigma_{BC2}^2 - 0.5(\sigma_{F1}^2 + \sigma_{P2}^2)]\}$$

تجزیه واریانس داده‌ها بر اساس طرح بلوک‌های کامل تصادفی (RCBD) به کمک نرم‌افزار SAS 8.02 انجام شد. اثرهای ژنی و درصد هتروژیس توسط برنامه نوشته شده در محیط Excel 2000 برآورد شد. جهت آزمون معنی‌دار بودن درصد هتروژیس به کمک توزیع t نیز از نرم‌افزار SAS 8.02 استفاده شد.

نتایج و بحث

برآورد اثرهای ژنی صفات مورد مطالعه

نتایج حاصل از تجزیه واریانس صفات مورد مطالعه در هر دو تلاقی، نشان‌دهنده وجود تفاوت معنی‌دار بین تیمارها (نسل‌ها) از نظر کلیه صفات بود که حاکی از امکان تجزیه و تحلیل ژنتیکی این صفات بود. میانگین نسل‌ها و خطای معیار صفات مورد مطالعه در

جدول ۱- میانگین نسل‌ها و خطای معیار صفات مختلف در تلاقی (P₁) × K74/1 (P₂) در ذرت

Table 1. Generation means and standard error (S.E.) of various traits of the cross K3218 (P₁) × K74/1 (P₂) of corn

نسل	تعداد روز تا ظهور کاکل	تعداد روز تا رسیدن فیزیولوژیک	تعداد روز از ظهور کاکل تا رسیدن فیزیولوژیک	ارتفاع بوته	ارتفاع بلال
Generation	Days to silking	Days to physiological maturity	Days from silking to physiological maturity	Plant height	Ear height
P ₁	83.87±0.41	140.07±0.36	56.2±0.42	159.17±2.27	85.8±1.72
P ₂	78.47±0.57	137.6±0.63	59.13±0.46	115.33±2.71	50.57±1.58
F ₁	81.82±0.43	142.11±0.35	60.29±0.49	169.56±2.73	91.42±1.48
F ₂	82.31±0.46	142.5±0.36	60.19±0.46	127.66±1.93	62.24±1.38
BC ₁	82.18±0.44	141.55±0.56	59.37±0.67	149.08±2.48	75.25±1.69
BC ₂	79.68±0.51	142.53±0.27	62.85±0.5	135.65±2.1	66.12±1.59
% Heterosis	0.8 ns	2.4 **	4.6 **	23.5 **	34.1 **

. ns, * و **: به ترتیب غیرمعنی دار و معنی دار در سطوح احتمال ۵٪ و ۱٪.

ns, * and **: Not significant, significant at 5% and 1% probability levels, respectively.

ادامه جدول ۱

نسل	طول بلال	عمق دانه	وزن ۱۰۰ دانه	تعداد ردیف دانه در بلال	تعداد دانه در ردیف بلال	عملکرد دانه
Generation	Ear length	Grain depth	100 grain weight	Number of rows per ear	Number of kernels per row	Grain yield
P ₁	15.09±0.38	0.55±0.30	24.77±0.48	12.47±0.25	26.4±0.6	86.71±5.14
P ₂	13.9±0.33	0.92±0.05	23.15±0.37	19.6±0.45	29.1±0.62	106.65±4.78
F ₁	19.06±0.32	1.07±0.03	31.02±0.56	16.13±0.38	31.4±1.08	145.15±4.97
F ₂	16.79±0.38	0.87±0.03	28.02±0.47	15.31±0.33	23.13±0.83	107.9±4.63
BC ₁	18.22±0.46	0.79±0.03	28.23±0.52	14.07±0.33	25.42±1.01	98.59±5.01
BC ₂	16.45±0.44	0.86±0.03	27.99±0.61	15.43±0.42	25.37±0.95	112.65±5.98
% Heterosis	31.5 **	46.9 **	24.5 **	0.6 ns	13.2 **	50.1 **

. ns, * و **: به ترتیب غیرمعنی دار و معنی دار در سطوح احتمال ۵٪ و ۱٪.

ns, * and **: Not significant, significant at 5% and 1% probability levels, respectively.

جدول ۲- میانگین نسل ها و خطای معیار صفات مختلف در تلاقی (P₂) K3653/5 × ذرت K3218 (P₁)

Table 2. Generation means and standard error (S.E.) of various traits of the cross

K3218 (P₁) × K3653/5 (P₂) of corn

نسل Generation	تعداد روز تا ظهور کاکل Days to silking	تعداد روز تا رسیدن فیزیولوژیک Days to physiological maturity	تعداد روز از ظهور کاکل تا رسیدن فیزیولوژیک Days from silking to physiological maturity	ارتفاع بوته Plant height	ارتفاع بلال Ear height
P ₁	82.6±0.56	134.53±0.59	51.93±1.01	163.4±3.65	84.07±2.1
P ₂	78.83±0.38	137±0.3	58.17±0.44	141.93±1.76	57.53±2.04
F ₁	76.56±0.47	140.53±0.41	63.98±0.53	178.62±2.31	85.18±1.88
F ₂	81.22±0.61	142.14±0.37	60.92±0.49	152.64±2.11	69.3±1.52
BC ₁	79.82±0.65	139.92±0.41	60.1±0.53	154.12±2.78	74.28±1.69
BC ₂	85.18±0.53	143.37±0.46	58.18±0.66	157.42±2.03	71.55±1.82
% Heterosis	-5.2 **	3.5 **	16.2 **	17 **	20.3 **

ns, * و **: به ترتیب غیرمعنی دار و معنی دار در سطوح احتمال ۵٪ و ۱٪.

ns, * and **: Not significant, significant at 5% and 1% probability levels, respectively.

Table 2. Continued

ادامه جدول ۲

نسل Generation	طول بلال Ear length	عمق دانه Grain depth	وزن ۱۰۰ دانه 100 grain weight	تعداد ردیف دانه در بلال Number of rows per ear	تعداد دانه در ردیف بلال Number of kernels per row	عملکرد دانه Grain yield
P ₁	14.66±0.13	0.71±0.02	26.52±0.54	12.53±0.21	27.38±0.91	87.75±3.29
P ₂	15.46±0.21	0.89±0.03	24.09±0.45	17.67±0.3	30.4±0.56	117.1±5.89
F ₁	16.66±0.22	0.98±0.03	30.37±0.38	17.24±0.26	27.5±1.13	153.7±5.69
F ₂	16.31±0.29	0.9±0.02	29.13±0.49	15.04±0.23	27±0.73	1.06.16±4.49
BC ₁	14.96±0.35	0.93±0.03	28.42±0.56	15.1±0.23	22.4±0.85	118.03±5.27
BC ₂	16.16±0.28	0.81±0.03	25.9±0.42	15.47±0.33	28.15±0.93	116.97±4.87
% Heterosis	10.6 **	22.7 **	20 **	14.2 **	-4.8 ns	53.8 **

ns, * و **: به ترتیب غیرمعنی دار و معنی دار در سطوح احتمال ۵٪ و ۱٪.

ns, * and **: Not significant, significant at 5% and 1% probability levels, respectively.

جدول ۳- برآورد اجزای ژنتیکی میانگین برای صفات مختلف در تلاقی K3218 × K74/1 در ذرت

Table 3. Estimate of genetic components of mean for various traits of the cross K3218 × K74/1 of corn

Trait	صفت	m	[d]	[h]	[i]	[j]	[l]	χ^2
Days to silking	تعداد روز تا ظهور کاکل	81.15±0.312 **	2.63±0.309 **	0.61±0.548 ns	—	—	—	6.11625 ns
Days to physiological maturity	تعداد روز تا رسیدن فیزیولوژیک	138.83±0.361 **	1.23±0.361 **	10.33±1.477 **	—	-3.96±1.345 **	-7.05±1.375 **	0.921717 ns
Days from silking to physiological maturity	تعداد روز از ظهور کاکل تا رسیدن فیزیولوژیک	57.67±0.311 **	-1.47±0.311 **	9.5±1.63 **	—	-4.49±1.754 **	-6.88±1.705 **	2.16538 ns
Plant height	ارتفاع بوته	87.26±3.794 **	21.85±1.767 **	82.545±4.643 **	50.36±4.318 **	-17.65±7.362 **	—	0.866193 ns
Ear height	ارتفاع بلال	32.84±2.988 **	17.61±1.166 **	58.49±4.014 **	35.29±3.269 **	-16.91±5.188 **	—	0.056596 ns
Ear length	طول بلال	14.61±0.23 **	0.75±0.233 **	4.6±0.401 **	—	—	—	4.89341 ns
Grain depth	عمق دانه	0.82±0.015 **	-0.1±0.018 **	0.2±0.024 **	—	0.13±0.064 *	—	4.9262 ns
100-grain weight	وزن ۱۰۰ دانه	24.07±0.283 **	0.78±0.282 **	7.41±0.587 **	—	—	—	2.10188 ns
Number of rows per ear	تعداد ردیف دانه در بلال	16.03±0.259 **	-3.57±0.259 **	-4.36±1.204 **	—	4.19±1.179 **	4.46±1.247 **	1.71302 ns
Number of kernels per row	تعداد دانه در ردیف بلال	14.33±1.92 **	-1.22±0.412 **	16.68±2.713 **	13.36±1.98 **	—	—	2.30601 ns
Grain yield	عملکرد دانه	64.51±10.004 **	-11.09±3.194 **	78.16±13.45 **	30.86±10.78 **	—	—	3.87366 ns

ns, * and **: Not significant, significant at 5% and 1% probability levels, respectively.

ns, * و **: به ترتیب غیرمعنی‌دار، معنی‌دار در سطوح احتمال ۵٪ و ۱٪

جدول ۴- برآورد اجزای ژنتیکی میانگین برای صفات مختلف در تلاقی K3218 × K3653/5 ذرت

Table 4. Estimate of genetic components of mean for various traits of the cross K3218 × K3653/5 of corn

Trait	صفت	m	[d]	[h]	[i]	[j]	[l]	χ^2
Days to silking	تعداد روز تا ظهور کاکل	80.72±0.34**	1.88±0.34**	9.64±1.781**	—	-14.85±1.8**	-13.8±1.8.7**	2.99374 ns
Days to physiological maturity	تعداد روز تا رسیدن فیزیولوژیک	135.77±0.329**	-1.23±0.329**	19.56±1.426**	—	-4.51±1.396**	-14.8±1.41**	1.09923 ns
Days from silking to physiological maturity	تعداد روز از ظهور کاکل تا رسیدن فیزیولوژیک	1.76±0.008**	-0.03±0.004**	0.05±0.01**	-0.02±0.01*	0.08±0.015**	—	3.51144 ns
Plant height	ارتفاع بوته	152.67±2.026**	10.73±2.026**	-18.55±8.404*	—	-29.59±7.873**	44.51±8.128**	1.31879 ns
Ear height	ارتفاع بلال	53±3.462**	13.26±1.464**	31.92±4.827**	17.64±3.825**	-21.19±5.759**	—	0.213851 ns
Ear length	طول بلال	15.08±0.115**	-0.45±0.116**	1.59±0.24**	—	—	—	6.36288 ns
Grain depth	عمق دانه	0.8±0.016**	-0.09±0.018**	0.17±0.034**	—	0.41±0.085**	—	2.77391 ns
100-grain weight	وزن ۱۰۰ دانه	33.8±2.415**	1.48±0.313**	-15.25±5.756**	-8.45±2.294**	—	11.82±3.492**	1.16223 ns
Number of rows per ear	تعداد ردیف دانه در بلال	15.1±0.186**	-2.57±0.186**	-1.82±0.86*	—	4.54±0.862**	3.96±0.884**	0.614489 ns
Number of kernels per row	تعداد دانه در ردیف بلال	28.89±0.534**	-1.51±0.534**	-10.14±2.738**	—	-8.76±2.736**	8.75±3.145**	3.18022 ns
Grain yield	عملکرد دانه	58.85±10.295**	-14.7±3.357**	95±14.47**	43.63±10.969**	31.45±15.846*	—	0.0075312 ns

ns, * and **: Not significant, significant at 5% and 1% probability levels, respectively.

ns, * و **: به ترتیب غیرمعنی‌دار، معنی‌دار در سطوح احتمال ۵٪ و ۱٪

جدول ۵- برآوردهای اجزای تنوع، میانگین درجه غالبیت، نسبت $F/(D*H)^{1/2}$ و درجه غالبیت برای صفات مختلف در تلاقی ۱/ K3218 × K74/1 ذرت
 Table 5. Estimates of the components of variation, dominance ratio, $F/(D*H)^{1/2}$ ratio and degree of dominance for various traits of the cross K3218 × K74/1 of corn

Trait		صفت						درجه غالبیت Degree of dominance
		D	H	F	Ew	$(H/D)^{1/2}$	$F/(D*H)^{1/2}$	
Days to silking	تعداد روز تا ظهور کاکل	21.51	1.25	-3.90	7.94	0.24	-0.75	0.24
Days to physiological maturity	تعداد روز تا رسیدن فیزیولوژیک	1.39	18.24	14.27	6.62	3.62	2.83	2.66
Days from silking to physiological maturity	تعداد روز از ظهور کاکل تا رسیدن فیزیولوژیک	-5.75	55.76	11.63	8.39	—	—	1.79
Plant height	ارتفاع بوته	627.44	102.93	141.51	2.92	0.48	1.47	0.44
Ear height	ارتفاع بلال	40.19	244.68	18.63	90.34	2.47	0.19	1.32
Ear length	طول بلال	3.62	29.18	1.14	4.17	2.84	0.11	7.69
Grain depth	عمق دانه	0.04	0.03	-0.003	0.05	0.88	-0.07	1.87
100-grain weight	وزن ۱۰۰ دانه	3.38	33.88	-6.12	9.92	3.87	-0.57	8.70
Number of rows per ear	تعداد ردیف دانه در بلال	5.87	7.33	-4.22	5.31	1.12	-0.64	0.03
Number of kernels per row	تعداد دانه در ردیف بلال	17.82	84.3	6.93	31.66	2.18	0.18	2.70
Grain yield	عملکرد دانه	405.76	3194.15	-633.83	925.92	2.81	-0.56	4.90

جدول ۶- برآوردهای اجزای تنوع، میانگین درجه غالبیت، نسبت $F/(D*H)^{1/2}$ و درجه غالبیت برای صفات مختلف در تلاقی ۵/ K3218 x K3653/5 ذرت
 Table 6. Estimates of the components of variation, dominance ratio, $F/(D*H)^{1/2}$ ratio and degree of dominance for various traits of the cross K3218 x K3653/5 of corn

Trait		صفت						درجه غالبیت Degree of dominance
		D	H		Ew	$(H/D)^{1/2}$	$F/(D*H)^{1/2}$	
Days to silking	تعداد روز تا ظهور کاکل	48.22	2.40	8.85	8.50	0.22	0.84	-2.21
Days to physiological maturity	تعداد روز تا رسیدن فیزیولوژیک	3.01	14.68	-2.16	6.97	2.21	-0.32	3.86
Days from silking to physiological maturity	تعداد روز از ظهور کاکل تا رسیدن فیزیولوژیک	2.36	21.67	-8.77	15.45	3.03	-1.23	2.86
Plant height	ارتفاع بوته	176.72	272.12	216.03	242.69	1.24	0.99	2.42
Ear height	ارتفاع بلال	95.42	69.34	-27.64	143.82	0.85	-0.34	1.08
Ear length	طول بلال	5.93	11.98	2.91	1.54	1.42	0.35	4.00
Grain depth	عمق دانه	0.04	0.01	-0.002	0.03	0.44	-0.18	1.98
100-grain weight	وزن ۱۰۰ دانه	29.18	1.89	8.29	6.89	0.25	1.12	4.16
Number of rows per ear	تعداد ردیف دانه در بلال	0.08	8.56	-3.18	2.61	10.62	-3.94	0.84
Number of kernels per row	تعداد دانه در ردیف بلال	2.50	39.80	-8.87	37.19	3.99	-0.89	-0.92
Grain yield	عملکرد دانه	1095.2	797.51	242.08	1069.28	0.85	0.26	3.49

جدول ۸- برآوردهای وراثت پذیری به وسیله روش های متفاوت برای صفات مختلف در تلاقی K3218 × K3653/5 در ذرت
Table 8. Estimates of the heritability by different methods for various traits of the cross K3218 × K3653/5 of corn

Trait	صفت	Broad sense heritability(Hb)				برآورد وراثت پذیری عمومی میانگین	وراثت پذیری خصوصی Narrow sense heritability(Hn)
		Mahmud and Kramer (1951)	Allard (1960)	Warner (1952)	Allard (1960)		
Days to silking	تعداد روز تا ظهور کاکل	0.79	0.81	0.7	0.76	0.78	0.77
Days to physiological maturity	تعداد روز تا رسیدن فیزیولوژیک	0.46	0.57	0.39	0.44	0.52	0.48
Days from silking to physiological maturity	تعداد روز از ظهور کاکل تا رسیدن فیزیولوژیک	0.18	0.40	0.42	0.26	0.40	0.33
Plant height	ارتفاع بوته	0.38	0.52	0.40	0.39	0.48	0.43
Ear height	ارتفاع بال	0.38	0.38	0.24	0.34	0.34	0.33
Ear length	طول بال	0.88	0.89	0.71	0.82	0.85	0.83
Grain depth	عمق دانه	0.66	0.66	0.59	0.47	0.53	0.58
100-grain weight	وزن ۱۰۰ دانه	0.66	0.67	0.71	0.68	0.68	0.68
Number of rows per ear	تعداد ردیف دانه در بال	0.57	0.59	0.34	0.49	0.52	0.50
Number of kernels per row	تعداد دانه در ردیف بال	0.65	0.68	0.58	0.37	0.51	0.56
Grain yield	عملکرد دانه	0.62	0.68	0.50	0.48	0.57	0.57

جدول ۷- برآوردهای وراثت پذیری به وسیله روش های متفاوت برای صفات مختلف در تلاقی K3218 × K74/1 ذرت

Table 7. Estimates of the heritability by different methods for various traits of the cross K3218 × K74/1 of corn

Trait	صفت	Broad sense heritability(Hb)				برآورد وراثت پذیری عمومی میانگین	وراثت پذیری خصوصی Narrow sense heritability(Hn)
		Mahmud and Kramer (1951)	Allard (1960)	Warner (1952)	Allard (1960)		
Days to silking	تعداد روز تا ظهور کاکل	0.61	0.63	0.55	0.59	0.61	0.6
Days to physiological maturity	تعداد روز تا رسیدن فیزیولوژیک	0.34	0.44	0.54	0.41	0.47	0.44
Days from silking to physiological maturity	تعداد روز از ظهور کاکل تا رسیدن فیزیولوژیک	0.70	0.70	0.44	0.61	0.63	0.62
Plant height	ارتفاع بوته	0.45	0.72	0.53	0.58	0.55	0.57
Ear height	ارتفاع بال	0.52	0.53	0.42	0.49	0.35	0.46
Ear length	طول بال	0.72	0.72	0.65	0.70	0.70	0.70
Grain depth	عمق دانه	0.40	0.46	0.36	0.39	0.43	0.41
100-grain weight	وزن ۱۰۰ دانه	0.72	0.73	0.29	0.58	0.58	0.58
Number of rows per ear	تعداد ردیف دانه در بال	0.60	0.67	0.34	0.52	0.58	0.54
Number of kernels per row	تعداد دانه در ردیف بال	0.82	0.82	0.55	0.60	0.70	0.70
Grain yield	عملکرد دانه	0.62	0.62	0.42	0.55	0.86	0.61

دانه در نتایج گزارش‌های بلانک و همکاران (Blank *et al.*, 2006)، میهایلوف (Mihailov and Chernov, 2006) و چرنوف (Novoselovic *et al.*, 2004) نیز دیده شده است. علامت مخالف اثر افزایشی [d] و اثر متقابل افزایشی × افزایشی [i] در صفات تعداد دانه در ردیف بلال و عملکرد دانه در تلاقي اول و در صفات وزن ۱۰۰ دانه و عملکرد دانه در تلاقي دوم، نمایانگر ماهیت متضاد (Oppositional nature) اثر متقابل برای این صفات است.

در تلاقي اول، اثر متقابل افزایشی × غالبيت [j] در صفات تعداد روز تا رسيدن فيزيولوژيک، تعداد روز از ظهرور کاکل تا رسيدن فيزيولوژيک، ارتفاع بوته، ارتفاع بلال، عمق دانه و تعداد ردیف دانه در بلال و در تلاقي دوم در تمامی صفات به جز طول بلال و وزن ۱۰۰ دانه، معنی دار بود که اين نوع اپیستازی به وسیله گزینش تحت شرایط خود گشني قابل ثبیت نیست. علامت منفی پارامتر [j] بستگی به جایگاه والدین دارد. علامت مخالف اثر غالبيت [h] و اثر متقابل غالبيت × غالبيت [i] در صفات تعداد روز تا رسيدن فيزيولوژيک، تعداد روز از ظهرور کاکل تا رسيدن فيزيولوژيک و تعداد ردیف دانه در بلال در تلاقي اول و در صفات تعداد روز تا ظهرور کاکل، تعداد روز تا رسيدن فيزيولوژيک، ارتفاع بوته، وزن ۱۰۰ دانه، تعداد ردیف دانه در بلال و تعداد دانه در ردیف بلال

K3218 × K74/1)، برای صفات طول بلال و وزن ۱۰۰ دانه، و در تلاقي دوم K3218 × K3653/5) برای صفت طول بلال، مدل ساده افزایشی - غالبيت برازش گردید. در مابقی صفات، مدل شش پارامتری به کار گرفته شد و با حذف اجزای غیر معنی دار از اين مدل، بهترین مدل برای هر صفت تعیین شد. در تلاقي اول، برای صفت تعداد روز تا ظهرور کاکل، فقط بخش افزایشی [d] معنی دار شد که بیانگر سهم مؤثر اثر افزایشی ژن‌ها در کنترل ژنتیکی این صفت است که موافق با نتایج به دست آمده از بررسی‌های رضایی و روحی (Rezaei and Roohi, 2004) و Betran *et al.*, 2003 (Paul and Debnath, 1999) می‌باشد. کوچک بودن اثر غالبيت در اين صفت ممکن است ناشی از دو جهته بودن آن و یا ناشی از کوچک بودن واریانس ژنتیکی باشد. برای صفات تعداد دانه در ردیف بلال و عملکرد دانه، اثر غالبيت (علاوه بر افزایشی) و اثر متقابل افزایشی × افزایشی، بیشترین نقش را در کنترل توارث ایفاء می‌كردند که در مورد صفت عملکرد دانه با نتایج به دست آمده از زیمرمن و همکاران (Zimmermann *et al.*, 1985) مطابقت دارد. بنابراین می‌توان پیشنهادداد گزینش در نسل‌های انتهایی صورت گیرد و اثر اپیستازی افزایشی × افزایشی نیز در صورت گزینش تحت شرایط خود گشني، قابل ثبیت خواهد بود. وجود اپیستازی برای عملکرد

است و در توافق با وراثت‌پذیری خصوصی پایین برای آن صفات است. همچنین در اکثر صفات، پارامتر $F/(D^*H)^{1/2}$ کوچک‌تر از یک بود که بیانگر متفاوت بودن علامت و بزرگی اثر ژن‌های کنترل‌کننده این صفات است.

در تلاقی اول، درجه غالبیت در صفات تعداد روز تا ظهرور کاکل، ارتفاع بوته و تعداد ردیف دانه در بلال و در تلاقی دوم در صفت تعداد ردیف دانه در بلال، نشان دهنده غالبیت نسبی به طرف والد بزرگ‌تر ($h/d < 0$) و در صفت تعداد دانه در ردیف بلال، نشانگر غالبیت نسبی به طرف والد کوچک‌تر ($h/d > 0$) بود، بنابراین سهم اثر افزایشی ژن‌ها در کنترل ژنتیکی این صفات بیشتر از اثر غیر افزایشی است. در هر دو تلاقی، درجه غالبیت در مابقی صفات بزرگ‌تر از ($h/d > 1$) و در تلاقی دوم، در صفت تعداد روز تا ظهرور کاکل، کوچک‌تر از ($h/d < -1$) بود که نشان دهنده وجود فوق غالبیت ژن‌ها و سهم بیشتر اثر غیر افزایشی در کنترل ژنتیکی این صفات نسبت به اثر افزایشی است. اهمیت بیشتر اثر غالبیت نسبت به اثر افزایشی برای عملکرد دانه، در نتایج اوچینگ و کمپتون(1994, Oching and Compton, 1998) پتروویچ(Petrovic, 1998) نیز آمده است. در تلاقی اول، برآورد آثار افزایشی برای صفات عمق دانه، تعداد ردیف دانه در بلال و عملکرد دانه و در تلاقی دوم، برای صفات تعداد روز تا رسیدن فیزیولوژیک، تعداد روز از ظهرور کاکل تا رسیدن فیزیولوژیک، عمق دانه، تعداد ردیف دانه در بلال و تعداد دانه در ردیف بلال، ژن‌های غالب عمدتاً در تلاقی اول، ژن‌های غالب عمدتاً در والد K74/1 و K3218 در تلاقی دوم نیز قرار گرفته‌اند. در تلاقی دوم نیز برای صفات تعداد روز تا رسیدن فیزیولوژیک، تعداد روز از ظهرور کاکل تا رسیدن فیزیولوژیک، عمق دانه، تعداد ردیف دانه در بلال و تعداد دانه در ردیف بلال، ژن‌های غالب عمدتاً در والد K3218 و برای صفت ارتفاع بلال، ژن‌های غالب عمدتاً در والد K3653/5 قرار دارند.

در تلاقی دوم، وجود اپیستازی دو گانه (Duplicate interaction) را نمایان می‌سازد که این نوع اپیستازی، مشکلی را در جهت گرینش گیاهان مطلوب ایجاد نمی‌کند.

اجزاء تنوع صفات مختلف در تلاقی‌ها در جدول‌های ۵ و ۶ ارائه شده است. در هر دو تلاقی، در اکثر صفات، مقدار واریانس غالبیت از واریانس افزایشی بیشتر بود که نشان دهنده این است که جهت دستیابی به اهداف اصلاحی مورد نظر، انجام دورگ‌گیری(هیبریداسیون) برای این صفات، روش مؤثرتری از انتخاب خواهد بود. در تلاقی اول، مقادیر F برای پنج صفت و در تلاقی دوم برای شش صفت منفی بود که بیانگر این است که در تلاقی اول، برای صفات تعداد روز تا ظهرور کاکل و وزن ۱۰۰ دانه، ژن‌های غالب عمدتاً در والد K74/1 و برای صفات عمق دانه، تعداد ردیف دانه در بلال و عملکرد دانه، ژن‌های غالب عمدتاً در والد K3218 قرار گرفته‌اند. در تلاقی دوم نیز برای صفات تعداد روز تا رسیدن فیزیولوژیک، تعداد روز از ظهرور کاکل تا رسیدن فیزیولوژیک، عمق دانه، تعداد ردیف دانه در بلال و تعداد دانه در ردیف بلال، ژن‌های غالب عمدتاً در والد K3218 و برای صفت ارتفاع بلال، ژن‌های غالب عمدتاً در والد K3653/5 قرار دارند.

در هر دو تلاقی، مقدار میانگین درجه غالبیت در اکثر صفات بزرگ‌تر از یک بود که این امر نشانگر اهمیت غالبیت برای این صفات

صفت تعداد روز تا رسیدن فیزیولوژیک دارای پایین‌ترین وراثت‌پذیری خصوصی (۰/۰۶) بودند. در تلاقی دوم نیز، صفت تعداد روز تا ظهرور کاکل، بیشترین وراثت‌پذیری خصوصی (۰/۷۳) و صفت تعداد ردیف دانه در بلال، کمترین وراثت‌پذیری خصوصی (۰/۰۱) را دارا بودند. وراثت‌پذیری خصوصی در صفت تعداد روز از ظهرور کاکل تا رسیدن فیزیولوژیک به دلیل منفی شدن واریانس افزایشی، صفر قلمداد شد که بر اساس نظر کیرسی و پونی (Kearsey and Pooni, 1998) ناشی از خطای نمونه‌برداری است.

برآورد حداقل تعداد ژن کنترل کننده هر صفت بر اساس فرمول‌های مختلف، در جدول‌های ۹ و ۱۰ ارائه شده است. نتایج روش‌های مختلف محاسبه حداقل تعداد ژن، نیاز به پیش‌فرض‌های خاصی همچون عدم وجود لینکاژ، اپیستازی، غالیت یا اثرهای نامساوی در مکان‌های ژنی متفاوت دارد. لذا وجود احتمالی هر یک از موارد فوق باعث برآورد کمتر از حد واقع ژن‌های کنترل کننده صفت خواهد شد (Ghannadha, 1998).

در مجموع با توجه به نتایج تجزیه میانگین نسل‌ها برای صفات مورد بررسی در دو تلاقی، در مورد اکثر صفات، اثر غالیت مقادیر بزرگ و معنی‌داری را به ویژه در مورد عملکرد و اجزای عملکرد به خود اختصاص داده است، در حالی که اثرهای افزایشی با وجود معنی‌دار بودن

فیزیولوژیک، طول بلال، عمق دانه، تعداد ردیف دانه در بلال، تعداد دانه در ردیف بلال و عملکرد دانه، دارای واریانس افزایشی مثبت بودند در حالی که در جدول‌های ۳ و ۴ دارای مقادیر منفی بودند که یانگر این است که در تجزیه میانگین نسل‌ها، پارامترهای افزایشی و یا اثر متقابل مرتبط با اثر افزایشی، تابعی از درجه پراکندگی ژن‌های افزایش دهنده صفت در بین والدین است، ولی واریانس‌های ژنتیکی به وسیله اثر متعادل تحت تأثیر قرار نگرفته و در واقع میانگین مربعات اثر هر مکان ژنی است و به صورت مجموع تنوع اثر افزایشی بیان می‌شوند. برآوردهای وراثت‌پذیری عمومی از طریق فرمول‌های مختلف و وراثت‌پذیری خصوصی در جدول‌های ۷ و ۸ آمده است. در تلاقی اول، صفات طول بلال و تعداد دانه در ردیف بلال، دارای بیشترین متوسط وراثت‌پذیری عمومی (هر دو ۰/۷) و صفت عمق دانه دارای کمترین متوسط وراثت‌پذیری عمومی (۰/۴۱) بودند. عملکرد دانه، دارای متوسط وراثت‌پذیری عمومی بالا (۰/۶۱) بود. در تلاقی دوم، صفت طول بلال، بالاترین متوسط وراثت‌پذیری عمومی (۰/۸۳) و صفات تعداد روز از ظهرور کاکل تا رسیدن فیزیولوژیک و ارتفاع بلال، پایین‌ترین وراثت‌پذیری عمومی (هر دو ۰/۳۳) را دارا بودند. عملکرد دانه دارای متوسط وراثت‌پذیری عمومی بالا (۰/۵۷) بود. در تلاقی اول، صفت تعداد روز تا ظهرور کاکل دارای بالاترین وراثت‌پذیری خصوصی (۰/۵۷) و

**جدول ۹- برآورد تعداد ژن برای صفات مختلف در تلاقی K3218 × K74/1 ذرت
K3218 × K74/1 of corn**

Table 9. Estimates of the number of segregation genes for various traits of the cross

Trait	صفت	فرمول ها Formula				
		1	2	3	4	5
Days to silking	تعداد روز تا ظهر کاکل	0.3	0.3	0.3	0.2	0.4
Days to physiological maturity	تعداد روز تا رسیدن فیزیولوژیک	0.1	0.1	0.1	0.1	0.0
Days from silking to physiological maturity	تعداد روز از ظهر کاکل تا رسیدن فیزیولوژیک	0.1	0.1	0.0	0.2	0.1
Plant height	ارتفاع بوته	1.0	1.2	0.7	0.1	6.8
Ear height	ارتفاع بلال	2.1	1.9	1.1	0.1	6.4
Ear length	طول بلال	0.0	0.0	0.0	0.5	0.8
Grain depth	عمق دانه	0.6	0.6	0.4	2.4	0.6
100-grain weight	وزن ۱۰۰ دانه	0.1	0	0.0	1.8	1.2
Number of rows per ear	تعداد ردیف دانه در بلال	1.8	1.3	1.0	1.5	0.7
Number of kernels per row	تعداد دانه در ردیف بلال	0.1	0.0	0.0	0.2	0.1
Grain yield	عملکرد دانه	0.1	0.0	0.0	0.6	0.3

جدول ۱۰- برآورد تعداد ژن برای صفات مختلف در تلاقی K3218 × K74/1 ذرت

Table 10. Estimates of the number of segregation genes for various traits f the cross
K3218×K74/1 of Corn

Trait	صفت	فرمول ها Formula				
		1	2	3	4	5
Days to silking	تعداد روز تا ظهر کاکل	0.1	0.1	0.1	0.6	0.1
Days to physiological maturity	تعداد روز تا رسیدن فیزیولوژیک	0.2	0.1	0.1	6.4	0.4
Days from silking to physiological maturity	تعداد روز از ظهر کاکل تا رسیدن فیزیولوژیک	0.5	0.7	0.4	0.0	0.5
Plant height	ارتفاع بوته	0.4	0.4	0.3	0.4	4.2
Ear height	ارتفاع بلال	1.8	1.4	1.1	0.0	3.4
Ear length	طول بلال	0.0	0.0	0.0	0.2	0.1
Grain depth	عمق دانه	0.8	0.2	0.2	1.6	0.2
100-grain weight	وزن ۱۰۰ دانه	0.0	0.0	0.0	0.3	2.3
Number of rows per ear	تعداد ردیف دانه در بلال	2.0	1.5	0.8	6.0	0.0
Number of kernels per row	تعداد دانه در ردیف بلال	0.0	0.1	0.1	0.0	0.1
Grain yield	عملکرد دانه	0.3	0.1	0.1	1.4	1.9

افزایشی را نشان دهند. در تلاقی اول در عملکرد دانه و در اکثر اجزای عملکرد و در تلاقی دوم در عملکرد دانه و همه اجزای عملکرد اثرهای اپیستازی دیده می‌شود. بنابراین جهت اصلاح هیبریدهای پر محصول ذرت، گزینش ترکیبات اپیستاتیک مطلوب می‌تواند مؤثر واقع شود. با

سهم کوچکی از تغییرات را در بر می‌گیرند. به نظر می‌رسد که در خصوص نسل‌های مورد تحقیق، از آن جا که لاین‌های اینبرد مورد مطالعه در دو تلاقی، با هدف عملکرد بیشتر تحت گزینش بوده اند، دور از انتظار نیست که برآوردهای کوچک‌تری از اثرهای ژنتیکی

اصلاح نباتات دانشگاه تهران، به خاطر مساعدت در امور رایانه‌ای، آقای مهندس رضا معینی، کارشناس بخش ذرت و نباتات علوفه‌ای مؤسسه تحقیقات اصلاح و تهیه نهال و بذر کرج و خانم الهام زارع، دانشجوی کارشناسی ارشد زبان‌شناسی همگانی دانشگاه پیام نور تهران، به خاطر یاری در مراحل مختلف اجرای تحقیق تشرک و قدردانی می‌شود.

توجه به این که خویش‌آمیزی همزمان با ارزیابی هیبرید صورت می‌گیرد، در نهایت ترکیبات ژنی اپیستاتیک مطلوب می‌تواند در این بردها ثبت شود.

سپاسگزاری

بدین وسیله از آقایان علی اشرف مهرابی اولادی و مهدی فاضل نجف‌آبادی، دانشجویان دکتری

References

- Akhtar, N., and Chowdhry, M. A. 2006.** Genetic analysis of yield and some other quantitative traits in bread wheat. International Journal of Agriculture and Biology 4:523-527.
- Allard, R. W. 1960.** Principles of Plant Breeding. 2nd edition, John Wiley and Sons, Inc. New York.
- Alok, K., Gangashetli, M. G., and Kumar, A. 1998.** Gene effects in some metric traits of maize(*Zea mays* L.). Annals of Agri-Bio-Research 3: 139-143.
- Azizi, F., Rezai, A. M., and Saeidi, G. 2006.** Generation mean analysis to estimate genetic parameters for different traits in two crosses of corn inbred lines at three planting densities. Journal of Agricultural Science and Technology 8(2): 153-169.
- Baghizadeh, A., Taleei, A. R., Naghavi, M. R., and Zeinali Khanghah, H. 2004.** An evaluation of inheritance for some quantitative traits in barley using generation mean analysis. Iranian Journal of Agricultural Sciences 35: 851-857 (in Farsi).
- Barakat, M. N. 1996.** Estimation of genetics parameters for in vitro traits in wheat immature embryo cultures involving high x low regeneration capacity genotypes. Euphytica 87: 119-125.
- Bartual, R., Lacasa, A., Marsal, J. I., and Tello, J. C. 1994.** Epistasis in the resistance of pepper to phytophtora stem blight (*Phytophtora capsici* L.) and its significance in the prediction of double cross performances. Euphytica 72:149-152.

- Betran, F. J., Ribaut, J. M., Beck, D., and Gonzalez de leon, D.** 2003. Genetic diversity, specific combining ability, and heterosis in tropical maize under stress and nonstress environments. *Crop Science* 43:797-806.
- Blank, G., Charcosset, A., Gallais, A., and Moreau, L.** 2006. QTL detection and marker-assisted selection in a multiparental maize design. *Agric. Conspec. Sci.* 71(1).
- Butruille, D. V., Silva, H. D., Kaeppeler, S. M., and Coors, J. G.** 2004. Response to selection and genetic drift in three populations derived from the golden glow maize population. *Crop Science* 44:1527–1534.
- Choukan, R.** 2002. Genetic analysis of grain yield and yield components in maize. *Seed and Plant* 18: 170-178 (in Farsi).
- Fazel Najafabadi, M., Ghannadha, M. R., Zali, A. A., and Yazdi Samadi, B.** 2004. Genetic analysis of seedling characters in bread wheat. Proceedings of the 4th International Crop Science Congress, Brisbane, Australia.
- Ghannadha, M. R.** 1998. Gene action for latent period of stripe rust in five cultivars of wheat. *Iranian Journal of Crop Sciences* 1: 53-71 (in Farsi).
- Hinze, L. L., and Lamkey, K. R.** 2003. Absence of epistasis for grain yield in elite maize hybrids. *Crop Science* 43:46–56.
- Jovanovic, D., and Marinkovic, R.** 2006. Use of additive-dominance model in genetic analysis of some quantitative characteristics in sunflower. *Agric. Conspec. Science* 71(1).
- Kearsey, M. J., and Pooni, H. S.** 1998. *Genetical Analysis of Quantitative Traits*. Chapman and Hall Press.
- Lamkey, K. R., and Lee, M.** 2005. Quantitative genetics, molecular markers and plant improvement. <http://corn2.agron.iastate.edu/Lamkey/Publications/PDF/australia.htm>
- Mahmud, I., and Kramer, H. H.** 1951. Segregation for yield, height and maturity following a soybean cross. *Agronomy Journal* 43:605-609.
- Mather, K. and Jinks, J. L.** 1982. *Biometrical Genetics*. Methuen, London. 162pp.
- Melchinger, A. E., Lee, M., Lamkey, K. R., Hallauer, A. R., and Woodman, W. L.** 1990. Genetic diversity for restriction fragment length polymorphisms and heterosis for two diallel sets of maize inbreds. *Theoretical and Applied Genetics*. 80: 488-496.

- Mihailov, M. E., and Chernov, A. A. 2006.** Using double haploid lines for quantitative trait analysis. Maize Genetics Cooperation Newsletter 80: 30.
- Mihaljevic, R., Friedrich Utz, H., and Melchinger, E. 2005.** No evidence for epistasis in hybrid and per se performance of elite european flint maize inbreds from generation means and QTL analyses. Crop Science 45: 2605 –2613.
- Novoselovic, D., Baric, M., Drezner, G., Gunjaca, J., and Lalic, A. 2004.** Quantitative inheritance of some wheat plant traits. Genetic and Molecular Biology 27:92-98.
- Oching, J. A. W., and Compton, W. A. 1994.** Genetic effects from full-sib selection in Krug maize. Journal of Genetics and Breeding 48:191-196.
- Paul, K. K., and Debnath, S. C. 1999.** Combining ability analysis in maize(*Zea mays* L.). Pakistan-Journal of Scientific and Industrial Research 42(3): 141-144.
- Petrovic, Z. 1998.** Combining abilities and mode of inheritance of yield and yield components in maize. Novi Sad. 85 P.
- Prakash, V., Saini, D. D., and Pancholi, S. R. 2006.** Genetic basis of heterosis for grain yield and its traits in wheat [*Triticum aestivum* L. em. Thell.] under normal and late sown conditions. Crop Research 31: 245-249.
- Rezaie, A., and Houshmand, S. 1997.** Gene action and heritability of some agronomt traits in 17 grain sorghum crosses. Iranian Journal of Agricultural Sciences 28 (3) 69-78 (in Farsi).
- Rezaei, A. H., and Roohi, V. 2004.** Estimate of genetic parameters in corn (*Zea mays* L.) based on diallel crossing system. New directions for a diverse planet: Proceedings of the 4th International Crop Science Congress Brisbane, Australia.
- Saha Ray, P. K., Hillerislambers, D., and Tepora, N. M 1994.** Genetics of stem elongation ability in rice (*Oryza sativa* L.). Euphytica 74: 137-141.
- Singh, R. P., and Singh, S. 1992.** Estimation of genetic parameters through generation mean analysis in bread wheat. Indian Journal of Genetics 52: 369-375.
- Vidal-Martinez, V. A., Clegg, M., Johnson, B., and Valdivia-Bernal, R. 2001.** Phenotypic and genotypic relationships between pollen and grain yield components in maize. Agrociencia 35: 503-511.
- Warnner, J. N. 1952.** A method for estimating heritability. Agronomy Journal 44: 427-430.

Wolf, D. P., and Peternelli, L. A. 2000. Estimate of genetic variance in F_2 maize population. *Journal of Heredity* 95: 384-391.

Zimmermann, M. J. O., Rosielle, A. A., Foster, K. W., and Waines, J. G. 1985. Gene action for grain yield and harvest index of common bean grown as sole crop and in intercrop with maize. *Field Crops Research* 12: 319-329.